

بسم الله الرحمن الرحيم



جامعة ال-بييت
كلية الأمير الحسين بن عبدالله لتكنولوجيا المعلومات
قسم الحاسوب

طريقة جديدة لحل مشكلة ازدحام الموجه باستخدام
الخوارزميات الجينية
**New Method for Solving Router Congestion Problem
using Genetic Algorithms**

عمل الطالب

عبدالله عرسان بني حمود

0320901010

اشراف:

د.مأمون ربابعة

مشرف مشارك

د.احمد دلالة

الفصل الدراسي الأول ٢٠٠٧/٢٠٠٨

طريقة جديدة لحل مشكلة ازدحام الموجه باستخدام الخوارزميات الجينية
New Method for Solving Router Congestion Problem
using Genetic Algorithms

اعداد: عبدالله عرسان بني حمود
0320901010

إشراف
الدكتور: مأمون ربابعة
جامعة ال-البيت

مشرف مشارك
الدكتور: احمد الدالعة
جامعة العلوم و التكنولوجيا

التوقيع

أعضاء لجنة المناقشة:

.....

د. مأمون ربابعة

.....

د. احمد دلالة

.....

د. عدنان محمد خير الصمادي

.....

د. اكرم حمارشة

.....

د. عيسى شهابات

قدمت هذه الرسالة استكمالاً لمتطلبات الحصول على درجة الماجستير في علم الحاسوب في كلية الأمير الحسين بن عبدالله لتكنولوجيا المعلومات في جامعة ال-البيت

نوقشت و أوصي بإجازتها / تعديلها / رفضها بتاريخ: / / ٢٠٠٨

بسم الله الرحمن الرحيم

الإهداء

واهدي هذه الرسالة إلى من يتوق لرؤيتي انجح و يوفر لي
الدعم المادي و المعنوي كلما احتجت له ألا و هما اعز
إنسانيين على قلبي أبي و أمي كما اهدي هذه الرسالة إلى
زوجتي العزيزة بمناسبة الزواج.

الشكر

اشكر كل من ساهم في دعمي (بحثيا أو معنويا) لإنجاز هذه الرسالة و أخص بالشكر الدكتور مأمون ربابعة و الدكتور احمد دلالة لإشرافهم على رسالتي و توجيههم لي للطريق الصحيح و الوصول إلى أفضل النتائج. واشكر أعضاء لجنة المناقشة الذين شاركوا في مناقشة هذه الرسالة.

فهرس المحتويات

الصفحة	الموضوع
١	الفصل الأول
٢	١-١ التوجيه و الخوارزميات الجينية
٢	٢-١ المقدمة
٢	١-٢-١ الخوارزميات
٢	٢-٢-١ ماذا تعني الخوارزميات
٣	٣-٢-١ تمثيل الخوارزميات
٤	٤-٢-١ مزايا الخوارزميات
٥	٥-٢-١ ما هي الخوارزميات الجينية
٨	٦-٢-١ إعادة الانتخاب-الإنتاج
٩	٧-٢-١ كيفية عمل الخوارزميات الجينية
١٠	٨-٢-١ مجال التطبيق
١١	٩-٢-١ الموجه
١١	١٠-٢-١ التوجيه
١١	١١-٢-١ أساسيات التوجيه
١١	١٢-٢-١ تحديد المسار
١٢	١٣-٢-١ كيف توجه الموجهات الرزم من المصدر إلى الوجهة
١٢	١٤-٢-١ انتقاء المسار و تبديل الرزم
١٥	الفصل الثاني
١٦	١-٢ المقدمة
١٦	٢-٢ الدراسات السابقة
١٦	١-٢-٢ دراسة بانرجي وباندي
١٨	٢-٢-٢ دراسة جاليسو و وينرايت
٢٣	٣-٢-٢ دراسة ويرنر و فوقرتي
٢٤	٤-٢-٢ دراسة بان
٢٨	الفصل الثالث
٢٩	١-٣ المشكلة وطريقة العمل
٢٩	٢-٣ حل مشكلة ازدحام الموجه باستخدام الخوارزميات الجينية
٣٠	١-٢-٣ علم المنهج و التطبيق
٣٠	٢-٢-٣ وظائف البرنامج الرئيسية
٣٧	٣-٢-٣ إعادة إنتاج (اختيار)
٣٩	٤-٢-٣ الانتقال
٤١	٥-٢-٣ التغير
٤٢	٦-٢-٣ مثال متكامل

٤٥	النتائج و التوصيات	الفصل الرابع
٤٦	المقدمة	١-٤
٤٦	الخطوات التحضيرية للبرمجة الجينية	٢-٤
٤٦	الخطوات التنفيذية للبرمجة الجينية	٣-٤
٤٨	النتائج العملية	٤-٤
٥٨	المناقشة	٥-٤
٥٩	المقترحات المستقبلية	٦-٤
٦٠	-----	المراجع

قائمة الجداول

الصفحة	اسم الجدول	الرقم
٣٤	جدول (١-٣) ويمثل المسارات وعدد العقد والتكلفة	1.
٣٧	جدول (٢-٣) يمثل عمليات الخوارزميات الجينية	2.
٤٢	جدول (٣-٣) Routing table	3.
٤٨	جدول (١-٤)	4.
٥٠	جدول رقم (٢-٤) يبين المقارنة بالتكلفة	5.
٥٢	جدول رقم (٣-٤) يبين عدد العقد للخوارزميات الجينية	6.
٥٣	جدول رقم (٤-٤) عدد العقد للـ First Fit	7.
٥٤	جدول رقم (٥-٤) وكذلك القيم القصوى والصغرى STD يبين المعدل والـ لحالة الاختبار	8.
٥٧	جدول رقم (٦-٤) يبين عدد الاتجاهات المكتشفة بالنسبة الى عدد العقد	9.

قائمة بالأشكال

الصفحة	اسم الشكل	الرقم
٥	شكل (١-١) الخوارزميات الجينية	1.
٧	شكل: (٢-١) تركيب الكروموسوم	2.
٧	شكل: (٣-١) التشفير و فك التشفير	3.
٩	شكل (٤-١): الهيكل الأساسي للخوارزميات الجينية	4.
١٩	الشكل (١-٢) يمثل تشفير الكروموسوم	5.
٢٢	شكل (٢-٢)	6.
٢٢	شكل (٣-٢)	7.
٣١	الشكل (١-٣) مخطط الخوارزمية	8.
٣٢	الشكل (٢-٣)	9.
٣٣	الشكل (٣-٣) كود يوضح طريقة ملئ الرسم البياني	10.
٣٤	الشكل (٤-٣) طريقة التحسين المستخدمة وعلاقتها بالمغيرات الخارجية	11.
٣٥	الشكل (٥-٣) ويمثل تطبيق لخوارزميتان وناجتهما	12.
٣٨	الشكل (٦-٣) يمثل الكود الخاص بإعادة الانتخاب	13.
٣٩	الشكل (٧-٣) يمثل الكود الخاص بالانتقال	14.
٤٠	الشكل (٨-٣) يمثل رقم المسار وعدد العقد والدالة ودالة التقييم والتكلفة	15.

٤١	الشكل (٣-٩) الكود الخاص بالتغيير	16.
٤١	الشكل (٣-١٠)	17.
٤٩	شكل (٤-١): يمثل العلاقة بين عدد القعد	18.
٥١	شكل (٤-٢): يمثل علاقة التكلفة الكلية	19.
٥٥	شكل (٤-٣): يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة والمعدل	20.
٥٥	شكل (٤-٤): يمثل العلاقة بين الانحراف المعياري وابعاد المصفوفة	21.
٥٦	شكل (٤-٥): يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة والقيم الصغرى	22.
٥٦	شكل (٤-٦)	23.
٥٨	شكل (٧-٤) يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة وعدد الطرق	24.

قائمة الاختصارات

ما يمثل	الاختصار
open shortest path	OSP
Routing Information Protocol	RIP-
Interior Gateway Routing Protocol	IGRP
Enhanced Interior Gateway Routing Protocol	EIGRP
Open Shortest Path First	OSPF
Rand	Rn
Evaluation function	Evl
Standard Deviation	STD

المخلص:

قمت في هذه الرسالة بدراسة مشكلة ازدحام الموجه باعتبارها من المشاكل التي يتم دراستها من عشرات السنين، لكنني في هذه الدراسة استخدمت الخوارزميات الجينية لحل المشكلة كونها من العلم الحديث (الذكاء الصناعي) و تعتمد مبدأ البقاء للأصلح.

في هذه الدراسة عملت على استخدام شيء جديد في الخوارزميات الجينية وهو استبدال الكلفة بعدد العقد للشبكة كفكرة جديدة لدالة التقييم (Fitness Function) وقمت بعمل برنامج باستخدام برمجية سي لتوليد شبكة معينة و اختيار الطريق الأفضل فيها من المرسل إلى المرسل إليه وفقا للخوارزميات الجينية آخذا بعين الاعتبار التعديلات التي قمت بها على دالة التقييم.

و تم تطبيق البرنامج و فحص النتائج على جهاز شخصي من نوع HP و سرعته 2G و طبق هذا البرنامج على عدد من الشبكات المختلفة و تمت مقارنة النتائج النهائية مع نتائج خوارزمية (First Fit) فنتج تحسين في الوقت بمعدل ٨٠.٧% و تحسين في الكلفة (المسافة) بمعدل ٢٨.٨%.

الفصل الأول

التوجيه والخوارزميات الجينية

١-١ مقدمة:

الطبيعة كانت وما تزال المورد الخصب التي تلهم الباحثين في كثير من مجالات العلم. وفي علوم الحاسب لم يكن الوضع مختلفاً. وأحد أهم الأمثلة على ذلك هو الشبكات العصبية التي بنيت على الفهم السائد للبنية العصبية في الدماغ البشري. من الأمثلة المهمة كذلك والحديثة والتي هي موضوع رسالتنا الخوارزميات الجينية التي تحاكي التطور البيولوجي للكائنات الحية وفقاً لنظرية التطور لداروين وخاصة مبدأ البقاء للأصلح، كما أنها تحاكي المبادئ الأساسية في علم الوراثة البيولوجي (الطفرة، التزاوج... الخ) وذلك لإيجاد الحلول المثلى للمسائل المعقدة. والخوارزميات الجينية تم ابتداعها من قبل العالم جون هولاند في جامعة ميتشيغان في أوائل السبعينيات من القرن العشرين حيث شرح ووضع الإطار النظري لها (Masaharu, 1990).

٢-١ الخوارزميات :-

سميت الخوارزميات بهذا الاسم نسبة إلى عالم الرياضيات والفلك المسلم الفارسي أبو جعفر محمد بن موسى الخوارزمي الذي عمل في بغداد في الوقت التي كانت فيه مركزاً للعلم والتجارة. كلمة خوارزم Algorithm في الأصل كانت مقتصرة على قوانين الرياضيات التي تستخدم الأرقام العربية و طُورت في اللاتينية من الخوارزمي Al-Khwarizmi لتصبح Algorithm في القرن الثامن عشر لتشمل جميع إجراءات حل المشكلات و تنفيذ المهمات (Masaharu, 1990).

١-٢-١ ماذا تعني الخوارزميات

- الخوارزميات: مجموعة من الخطوات المحسوبة للحصول على نتيجة معينة.
- الخوارزميات: طريقة تتكون من خطوات لحل مشكلة أو لتنفيذ مهمة.
- الخوارزميات : مجموعة منتهية من الخطوات المترتبة و الواضحة للوصول إلى نتيجة.

تعتبر كتابة الخوارزميات البسيطة بأقل عدد ممكن من الخطوات هي من التحديات الكبيرة في علم الحاسب. كما أن مبادئ البرمجة تتطلب تقسيم الخوارزميات إلى وحدات صغيرة تسمى (Sub-Algorithms) ، ويمكن تقسيمها إلى sub-algorithms وحدات أصغر.

في علم الحاسب هناك ثلاث تراكيب لبناء البرامج و كتابة الخوارزميات. الفكرة تكمن في أن أي برنامج أو خوارزمية يجب أن تتكون من هذه التراكيب الثلاثة فقط: التسلسل sequence، الاختيار selection، التكرار repetition، و قد أثبت أنه لاجابة إلى تراكيب إضافية وإستخدام هذه التراكيب يسهل فهم البرنامج أو الخوارزمية و اكتشاف الأخطاء الواردة فيها و تغييرها.

١. التسلسل: في الخوارزميات أو البرنامج عبارة عن مجموعة من التعليمات المتسلسلة، قد تكون هذه التعليمات إما تعليمات بسيطة أو من النوعين الآخرين.

٢. الاختيار : بعض المشاكل لايمكن حلها بتسلسل تعليمات بسيطة ، و قد تحتاج إلى اختبار بعض الشروط فإذا كانت نتيجة الاختبار صحيحة تتبع مسار يحوي تعليمات متسلسلة، و إذا كانت النتيجة خاطئة تتبع مسار آخر مختلف. هذه الطريقة هي ماتسمى اتخاذ القرار أو الاختيار.

٣. التكرار : عند حل بعض المشاكل لا بد من إعادة نفس تسلسل الخطوات عدد من المرات. و هذا ما يطلق عليه التكرار في علم الحاسب.

١-٢-٢ تمثيل الخوارزميات:-

يتم تمثيل الخوارزميات بالطرق التالية

١. المخطط الانسيابي Flowchart: هو تمثيل مصور للخوارزميات يخفي تفاصيل الكتابة لإعطاء صورة عامة ويوضح كيفية حل المشكلة من البداية إلى النهاية.

٢. الشيفرة المزيفة Pseudo-code: تمثيل الخوارزميات بلغات البشر كالانجليزية أو الفرنسية أو بلغات البرمجة كالباسكال ولا تعتمد قاعده معينة لكتابة هذا النوع من الشفرات فالبعض يستخدم الكثير من التفاصيل و البعض الآخر يستخدم القليل (Hong, 2001).

أشهر الخوارزميات:

١. خوارزميات البحث: هي إحدى الخوارزميات الشائعة في علم الحاسب ، و التي تعني عملية تحديد موقع الهدف ضمن قائمة من العناصر . هناك نوعان رئيسيين من خوارزميات

البحث في القوائم و هي: البحث التسلسلي (sequential search) و البحث الثنائي (binary)

(Search) و هذا الأخير هو الأسرع لكنه يناسب فقط القوائم المرتبة.

٢. خوارزميات الترتيب المتقدمة :

ومن اشهر الخوارزميات على ذلك (selection sort, bubble sort, insertion sort,heap sort) و (Shell sort , bucket sort, merge sort, quick sort) و السبب وراء كثرة خوارزميات الترتيب يكمن في نوع البيانات التي ستترب ، بعض الخوارزميات تناسب القوائم الاشبه مرتبة و بعضها الآخر يناسب قوائم البيانات المرتبة كلياً و هكذا. ولتحديد أي الخوارزميات هي المناسبة لهذا أو ذاك التطبيق يُستخدم مقياس معين يطلق عليه complexity of : algorithm مستوى تعقيد الخوارزميات.

بشكل عام هناك طريقتين لكتابة الخوارزميات ، الأولى باستخدام التكرار (iteration) و الأخرى باستخدام الإستدعاء الذاتي (recursion) . و في الطريقة الثانية من طرق كتابة الخوارزميات تنادي الخوارزميات نفسها!!

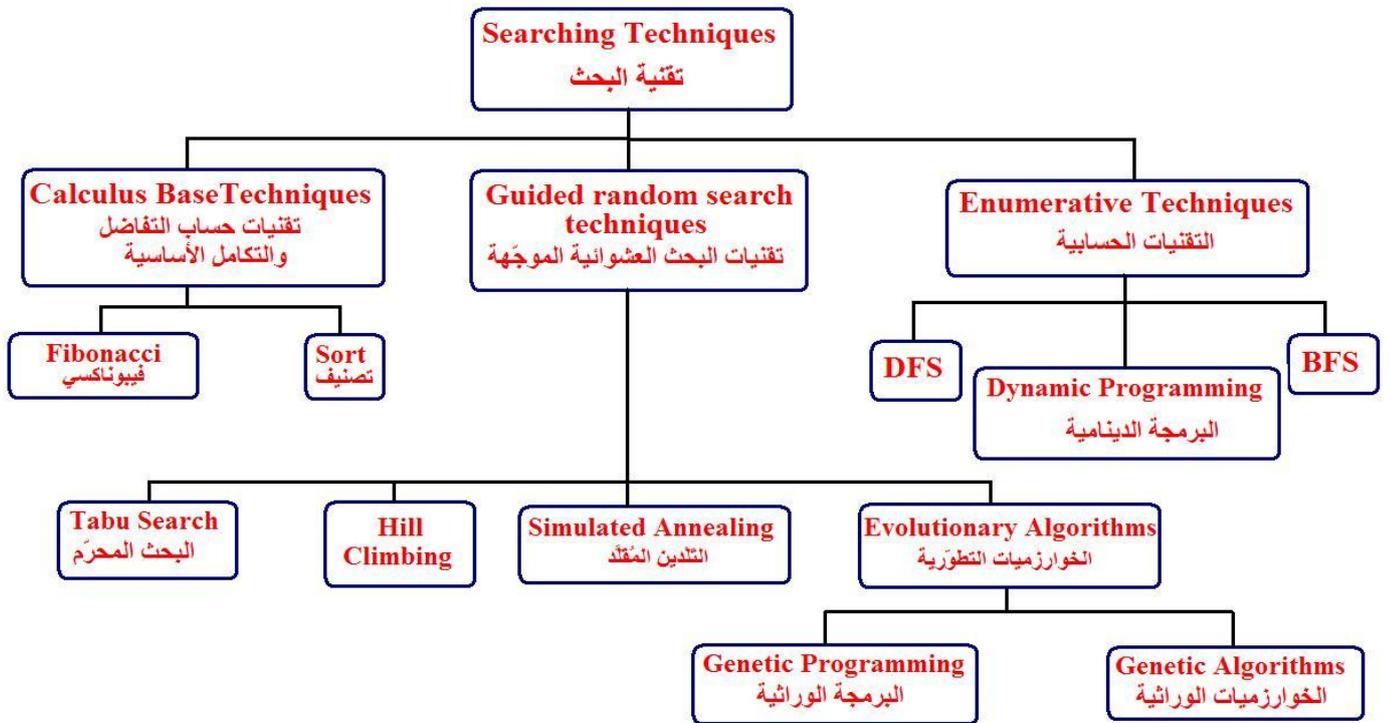
١-٢-٣ مزايا الخوارزميات

- وصف خطوات الحل بشكل واضح ومحدد.
- عدم اعتماد الخوارزميات على اسلوب معين في المعالجة
- امكانية استخدام الخوارزميات نفسها لحل جميع المشاكل المشابهة.
- سهولة فهم خطوات حل المشكلة واستيعابها.
- امكانية اكتشاف الاخطاء التي قد تحدث ببسر وسهولة.
- تعد الخوارزميات وسيلة من وسائل التوثيق.

١-٢-٤ ما هي الخوارزميات الجينية :-

هي طريقة من طرق الاستمثال و البحث. يمكن تصنيف هذه الطريقة كأحدى طرق الخوارزميات التطورية evolutionary algorithms التي تعتمد على تقليد عمل الطبيعة من منظور دارويني.

و تعتبر الخوارزميات الجينية من التقنيات الهامة في البحث عن الخيار الأمثل من مجموعة حلول متوفرة لتصميم معين، وتعتمد مبدأ داروين في الاصطفاء حيث تقوم هذه المعالجة الوراثية بتمرير المزايا المثلى من خلال عمليات التوالد المتعاقبة، وتدعيم هذه الصفات، وتكون لهذه الصفات القدرة الأكبر على دخول عملية التوالد، وإنتاج ذرية أمثل وبتكرار الدورة الوراثية تتحسن نوعية الذرية تدريجياً، عادة ما يتم تمثيل كل متغير على شكل سلسلة محدودة الطول من البتات (Bits) تدعى كروموسوم، كل بت (Bit) يمثل بالقيمة (1) أو (0) ويدعى جين وبالتالي كل كروموسوم يتألف من مجموعة من الجينات. على سبيل المثال إذا كانت المسألة هي إيجاد المتغير الذي يبلغ عنده التابع قيمته العظمى عندئذ نمثل المتغير بمجموعة من الجينات تمثل كروموسوم واحد فالكروموسوم يدعى غالباً التركيب الجيني للحل.



شكل (1-1) الخوارزميات الجينية

عادة ما يتم استعمال أية طريقة للقيام بالبحث في فضاء بحث (مجموعة عناصر يتم البحث فيها) أو في عملية إستمثال أي أن الهدف هو جعل دالة رياضية معينة تتخذ قيمة عليا، قصوى أو دنيا

قصوى و لهذه الدالة اسم خاص في مجال الخوارزميات الجينية حيث يطلق عليها اسم دالة التقييم .fitness function

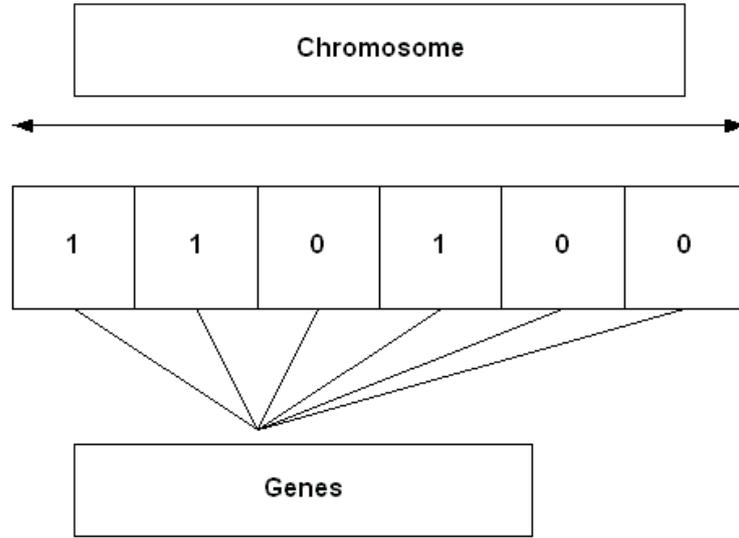
رغم أن تطبيق هذه الطريقة عادة يتلخص في عملية التماثل فإن لها مصطلحاتها الخاصة نظرا لأصولها الراجعة أو المرتبطة بنظرية التطور. من أهم هذه المصطلحات : (masaharu,1990)

• الإصطفاء: و هي عملية إصطفاء الكروموسومات، أي الأفراد، أي الحلول التي ستشارك في عملية التكاثر أي التي سيتم عليها لاحقا عملية مزج أجزائها مع أجزاء حلول أخرى أو تغيير جزء من أجزاء هذا الحل.

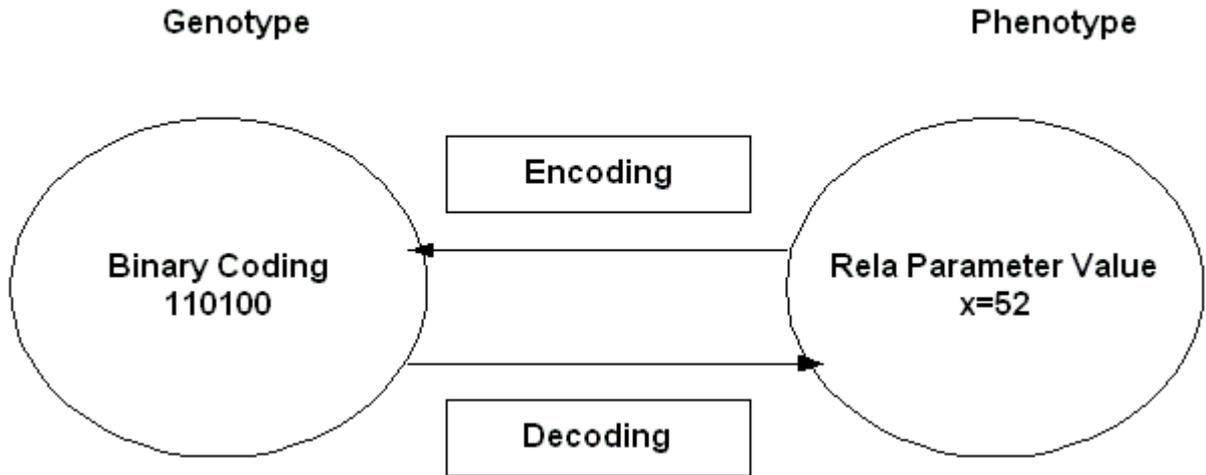
• الفرد أو الكروموسوم: هي الحلول المتاحة و التي يتم معالجتها كما في الشكل (٢-١).
• الجين: هو أصغر جزء من الفرد و أصغر جزء حامل للمعلومة. حيث يتم عادة تشفير متغيرات الدالة التي تخضع للإستمثال لتكون في الشكل الثنائي (صفر و واحد). البت (Bit) يسمى جين و كل مجموعة جينات يسمى كروموسوم كما في الشكل (٢-١).

- الـ population: هي مجموع الحلول المتاحة
- دالة التقييم fitness function: هي الدالة التي تعطي نتائجها تقييم دخول فرد ما في الإصطفاء و توريث خاصياته. حيث أن الحلول المثلى تعطي حذا أكبر للدخول في عملية التكاثر وتوريث الخاصيات أو التغيير.
- دالة التشفير: هي طريقة تشفير الحل، أي متغيرات عملية الإستمثال (تشفير ثنائي لمتغير ينتمي للأعداد الحقيقية).
- دالة فك التشفير: دالة فك التشفير هي الدالة العكسية لدالة التشفير التي نحتاجها لقراءة الحل النهائي الذي تعطيه الخوارزميات الجينية كما في الشكل (٣-١) .
- تلاقح crossover: عملية يتم خلالها تبادل أجزاء من الحلول (قيمة متغيرات) بين الأفراد أو الصبغيات أو الكروموسومات التي تم إصطفائها سابقا للدخول في هذه العملية (Johnson,1998).

• التغير mutation: هي عملية على صبغة معينة، أي طفرة أو تغير يطرأ على إحدى متغيراته



شكل: (٢-١) تركيب الكروموسوم



شكل: (٣-١) التشفير و فك التشفير

تستخدم اليوم الخوارزميات التطورية (Evolutionary Algorithms) لحل العديد من المشاكل التقنية في الأبحاث العلمية والصناعة. يقصد بمصطلح الخوارزميات في علم الكمبيوتر " طريقة لحل المسائل مؤلفة من مجموعة خطوات". الخوارزميات التطورية هي برامج كمبيوتر تحاكي آلية التطور (لبيولوجي) ، من تكاثر و تطفر وانتخاب طبيعي ، بهدف الوصول إلى حلول مثلى للمشاكل التقنية. وعلماء البيولوجيا هم أول من بدأ باستخدام الخوارزميات التطورية في الاستينات في محاولتهم فحص بعض العوامل و المتغيرات في نظرية التطور فقاموا ببناء برامج كمبيوتر تحاكي آلية التطور ولم يكن في تصورهم أن هذه البرامج ستجد لها تطبيقات في مجالات بعيدة عن البيولوجيا و التطور مثل هندسة الطيران و صناعة البترول و علوم الصيدلة و

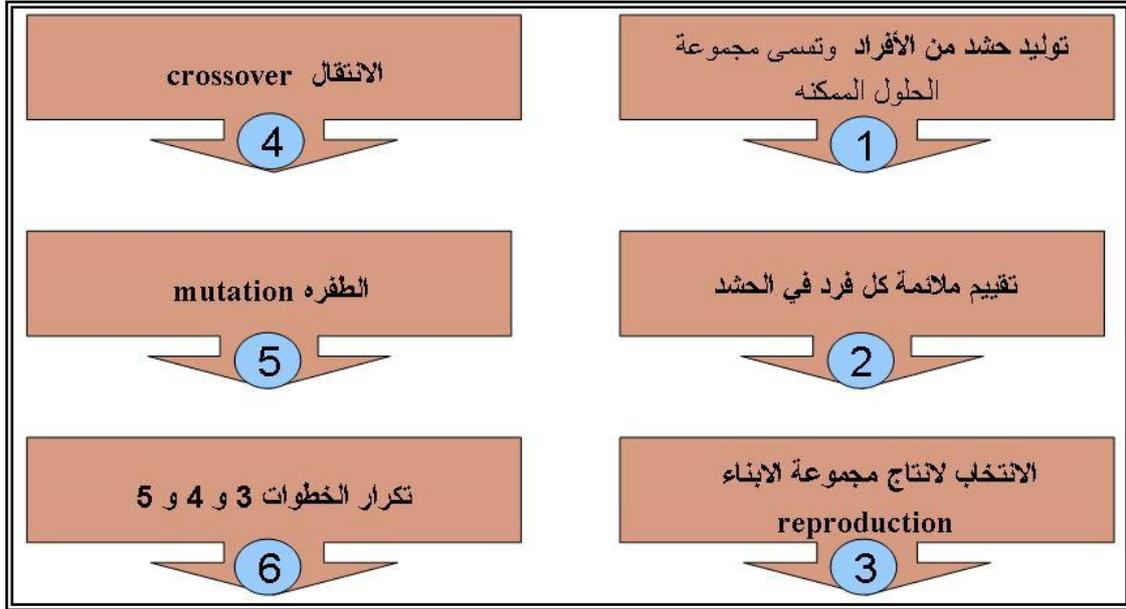
الذئب. ويتطرق علم الكمبيوتر عادة للخوارزميات التقليدية وهي خوارزميات تعتمد على تلقين الكمبيوتر خطوة خطوة ماذا عليه أن يفعل ليحل المشكلة، أي أذها خوارزميات تحليلية تفترض معرفة المبرمج مسبقاً طريقة حل المشكلة، ولكن في الخوارزميات التطورية لا يكون هناك تصور لطريقة حل المشكلة، كل ما نملكه هو الهدف الذي علينا الوصول له ويقوم البرنامج بتطوير الحل عبر توليد أجيال من الحلول و تكثيرها و الانتخاب فيما بينها كما هو حال التطور البيولوجي(Igner,1992).

١-٢-٥ إعادة الإنتاج-الانتخاب :-

الهدف الرئيسي من إعادة الإنتاج أو الانتخاب هو التأكيد على بقاء الحلول الجيدة وإزالة الحلول السيئة، وهذا هو صلب عمل الخوارزميات الوراثة القائمة على مبدأ البقاء للأصلح والذي من خلاله يتم الاحتفاظ بنسخ مضاعفة للحلول الجيدة لتحل مكان الحلول السيئة.

هناك العديد من الطرق والتقنيات لتنفيذ معامل إعادة الإنتاج ومن أشهر الطرق وأكثرها استخداماً هي:

- طريقة الانتخاب باستخدام دولااب الروليت. طريقة الانتخاب باستخدام دولااب الروليت تتم على النحو التالي: كل قطاع (أو شق) على دولااب الروليت يتم تمثيله بقيمة الملائمة النسبية للكروموسوم (قيمة الملائمة النسبية لكروموسوم هي قيمة الملائمة لذلك الكر وموسوم مقسومة على مجموع قيم الملائمة لجميع الكروموسومات). يتم تدوير دولااب الروليت ونختار الكروموسوم الذي يشير إليه مؤشر دولااب الروليت بعد توقفه، نلاحظ بهذه الطريقة أن قيمة الملائمة النسبية كلما كانت جيدة (كبيرة) فأذها تمثل شقاً كبيراً على دولااب الروليت وبالتالي لها حظ أكبر في عملية الانتخاب وانتقالها إلى الجيل التالي(zhigang,2003). فيما يلي توضيح للهيكل الأساسي للخوارزميات الجينية، شكل (١-٤).



شكل (١-٤): الهيكل الأساسي للخوارزميات الجينية

٦-٢-١ كيفية عمل الخوارزميات الجينية :-

تقوم الخوارزميات الجينية على توليد حلول جديدة وتولد حلولاً من احتمالات مشفرة على الشكل المعروف بـ "كروموسوم" أو "مورث". والكروموسومات تجتمع أو تتغير لإنتاج الأفراد الجديدة. وهي مفيدة لإيجاد الحل الأمثل للمعضلات المتعددة الأبعاد التي يمكن فيها أن تشفر القيم للمتغيرات المختلفة فيها على شكل الكروموسوم. ولتطبيق الخوارزميات الجينية علينا أولاً أن نوجد التمثيل المناسب للمشكلة المدروسة وفق عمليات صبغية، وأشهر طرق التمثيل هي استخدام السلاسل الثنائية لتمثيل قيم المتغيرات التي تعبر عن حل للمشكلة المعطاة وعلى هيئة صبغيات، وبعد أن تنتج هذه الصبغيات لا بد من طرق لمعالجتها حيث يوجد أربعة عمليات وهي (النسخ، التصالب، الطفرة و العكس). فالخوارزميات الجينية مبنية على أساس تقنية الحل المثلى وتحاكي النشوء الطبيعي وذلك عن طريق تشفير الحلول الممكنة لتمثيلها على شكل سلاسل مشابهة لسلاسل الصبغية، ومن ثم تطبيق بعض العمليات البيولوجية (نسخ، تصالب، طفرة)، والعمليات الصبغية (العكس) لإنتاج الحل الأمثل. والميزة الأهم في الخوارزميات الجينية هي طبيعتها التكيفية، والتي تجعلها أقل حاجة لمعرفة المعادلة من أجل حلها. فالخوارزميات الجينية هي طريقة لمحاكاة ما تفعله الطبيعة في تكاثر الكائنات الحية، واستخدام تلك الطريقة لحل مشكلات معقدة للوصول للحل الأفضل أو أقرب حل ممكن للحل الأفضل. إذن لدينا مشكلة لها عدد كبير جداً من الحلول أكثرها خاطئ وبعضها صحيح، وهناك دائماً الحل الأفضل والذي يصعب غالباً الوصول إليه. ففكرة الخوارزميات الجينية تكمن في توليد بعض الحلول للمشكلة عشوائياً، ثم تفحص هذه الحلول وتُقارن ببعض المعايير التي يضعها مصمم الخوارزمية، وأفضل الحلول فقط هي التي تبقى أما الحلول

الأقل كفاءة فيتم إهمالها تطبيقاً للقاء عدة البيولوجية "البقاء للأصلح". والخطوة التالية هي مزوجة أو خلط الحلول المتبقية (الحلول الأكثر كفاءة) لإنتاج حلول جديدة على غرار ما يحصل في الكائنات الحية وذلك بمزج مورثاتها (جيناتها) بحيث يحمل الكائن الجديد صفات هي عبارة عن مزيج من صفات والديه. الحلول الناتجة من التزاوج تدخل هي أيضاً تحت الفحص والتنقيح لمعرفة مدى كفاءتها واقتربها من الحل الأمثل، فإن ثبتت كفاءة الحل الجديد فإنه يبقى وإلا يُهمل، وهكذا تتم عمليات التزاوج والانتقاء حتى تصل العملية إما لعدد معين من التكرارات (يقرره مستخدم النظام) أو تصل الحلول الناتجة أو إحداها إلى نسبة كفاءة أو نسبة خطأ ضئيلة (يحددها المستخدم أيضاً) أو حتى الحل الأفضل.

٧-٢-١ مجالات التطبيق (Masaharu, 1990) :-

١. Numerical, Combinatorial Optimization

هو علم يهتم باشتقاق ووصف وتحليل طرق الحصول على حلول عددية لمسائل رياضية يصعب عادة حلها بالطرق التحليلية الجبرية المعتادة.

٢. System Modeling and Identification

وهو كيفية تمثيل البيانات أو المشكلة في الحاسوب بحيث يتمكن الحاسوب من معالجتها وإخراج الخرج المناسب (أو بالأحرى : كيفية وضع المشكلة في صورة ملائمة للحاسوب بحيث يفهمها و يتمكن من التفكير في حل لها).

٣. Planning and Control

تتضمن إدارة بيانات البحث جمع البيانات وحفظها وتنظيمها وتسجيلها وعرضها، وستحتاج كجزء من تخطيط البحث إلى أن تقرر نوع البيانات المطلوبة وكيفية جمعها، وستحتاج كذلك معرفة أين تضع البيانات وكيف ترتبها قبل تصميم أشكال جمع البيانات

٤. Engineering Design

هو بمثابة اللغة التي يتمكن المهندس من خلالها من التعبير عن أي تصميم على النحو الذي يمكن للآخرين فهمه وتطويره وتصنيعه. ويكون هذا الرسم وفقاً لمعايير متفق عليها بالنسبة للشكل والتسمية والمظهر والحجم وما إلى ذلك.

٥. Data Mining

هو العلم المختص باستخراج معلومات مخفية من البيانات ويسمى التنقيب عن البيانات .

٦. Artificial Life

هو أحد حقول العلم الممتزجة بالفن يبحث في الأنظمة المرتبطة بالحياة ، و عملياتها و تطورها من خلال المحاكاة باستخدام نماذج حاسوبية.

٣-١ الموجه Router :-

يعتبر من اهم الاجهزة المستخدمة في ربط الشبكات ويعمل هذا الجهاز وظفتين اسائتين هما:-

-إعطاء (Operate) العناوين المنطقية (Logical Address (IP address)

- يعمل على اختيار أفضل مسار يمكن ان تمر من خلاله البيانات من المرسل Source الى المستلم Destination

ويستخدم للربط مع الشبكة للتمكن من الدخول للانترنت ويستخدم (IP address) في تكوين Routing table و يستخدم احدى بروتوكولات التوجيه المعروفة RIP IGRP EIGRP OSPF IS-IS وهي كما يلي:

RIP- (اختصار Routing Information Protocol)، بروتوكول معلومات التوجيه

- IGRP (اختصار Interior Gateway Routing Protocol)، بروتوكول توجيه العبارة الداخلية

- EIGRP (اختصار Enhanced Interior Gateway Routing Protocol)، بروتوكول توجيه العبارة الداخلية المحسن

- OSPF (اختصار Open Shortest Path First)، فتح أقصر مسار أولاً

١-٣-١ التوجيه Routing :-

التوجيه هي عماية تقوم بفحص العنوان الموجود على الرزمة (Packet) وذلك باستخدام موجهات مثل (Routers) وتعطيه تصريح تجول يسمح له بالتجول في ارجاء الشبكة وهذا التصريح له مدة محدده (TIME TO LIVE) فإذا انتهت هذه الفترة الزمنية انتهت تلك الرزمة ولم تعد تسبب ازدحام داخل الشبكة.

٤-١ أساسيات التوجيه :-

١-٤-١ تحديد المسار:-

تحديد المسار لحركة المرور التي تمر عبر الشبكة يحدث في طبقة الشبكة . وظيفة تحديد المسار هي ان تمكن الموجه من تقييم المسارات المتوفرة إلى وجهة ما ومن إنشاء المعالجة المفضلة لرزمة محددة. خدمات التوجيه تستعمل معلومات وضع الشبكة عند تقييم مسارات الشبكة. هذه

المعلومات يمكن أن يضبط تكوينها مسؤول الشبكة أو يمكن تجميعها من خلال العمليات الديناميكية التي تعمل في الشبكة.

تقدم طبقة الشبكة تسليمياً بأفضل أداء للرزم طرف لطرف عبر الشبكات المترابطة ببعضها. وطبقة الشبكة تستعمل جدول توجيه IP لإرسال الرزم من الشبكة المصدر إلى الشبكة الوجهة. بعد أن يحدّد الموجّه أي مسار سيستعمل يُكمل تمرير الرزمة إلى الأمام. أي إنه يأخذ الرزمة التي قبلها في واجهة ما ويمرّها إلى الأمام إلى واجهة أخرى أو منفذ آخر يعكس أفضل مسار إلى وجهة الرزمة.

١-٤-٢ كيف توجّه الموجّهات الرزم من المصدر إلى الوجهة :-

لكي تكون فعالة حقاً، يجب أن تمثل الشبكة المسارات المتوفرة بين الموجّهات بشكل لا يؤدي إلى حدوث مشاكل وكل طريق بين الموجّهات له رقم تستعمله الموجّهات كعنوان شبكة. ويجب أن تُعبّر تلك العناوين عن معلومات يمكن أن تستعملها عملية التوجيه لتمرير الرزم من المرسل إلى المرسل إليه. وباستعمال تلك العناوين تستطيع طبقة الشبكة أن تزود اتصال يربط الشبكات المستقلة.

إن تناغم عناوين الطبقة عبر كامل الوصلات الداخلية للشبكة يحسّن أيضاً استعمال النطاق الموجي بمنعه حصول بث غير ضروري ويستحضر البث عبثاً غير ضروري على العمليات ويبدّر السعة في أي أجهزة أو وصلات لا تحتاج إلى تلقي البث. وباستعمال عنوان طرف لطرف متناغمة لتمثيل مسار وصلات الوسائط تستطيع طبقة الشبكة أن تجد مساراً إلى الوجهة من دون إرهاق الأجهزة أو الوصلات الداخلية للشبكة بعمليات بث غير ضرورية.

١-٤-٣ انتقاء المسار وتبديل الرزم :-

يقوم الموجّه عادة بترحيل رزمة من وصلة بيانات إلى وصلة بيانات أخرى، باستعمال وظيفتين

أساسيتين:

- وظيفة تحديد مسار.

- وظيفة تبديل.

ويستعمل الموجّه جزء من الشبكة في العنوان لينتقي المسارات من أجل تمرير الرزمة إلى الموجّه التالي على طول المسار. وتتيح وظيفة التبديل للموجّه قبول رزمة في واجهة واحدة وتمريرها إلى الأمام من خلال واجهة ثانية ووظيفة تحديد المسار تمكن الموجّه من انتقاء أنسب واجهة لتمرير الرزمة إلى الأمام. كما أن جزء العقدة في العنوان يستعمله الموجّه الأخير (الموجّه الموصول بالشبكة الوجهة) لتسليم الرزمة إلى المضيف الصحيح (Weifa,2000).

تعتمد عملية التوجيه على الخوارزمية المستخدمة للتوجيه. فهناك خوارزميات عدة مثل خوارزمية (Dijkstra) و (Open shortest path First) ومعظم هذه الخوارزميات تعتمد على ما يسمى بجدول التوجيه والتي يكون مخزن فيها مجموعة الطرق التي سوف تسلكها الحزم للوصول للمستقبل. في هذه الخوارزميات يتم على الاغلب اختيار الطريق الاقصر على اعتبار انه الأفضل، وتعتمد هذه الخوارزميات في حلها على ما يسمى بالـ cost.

حيث يستخدم لتوسيع الشبكة المحلية ويقوم بالربط بين أنواع من الشبكات ذات تصاميم و بروتوكولات مختلفة وهو يقوم بعمل مهم جداً في الشبكات ذات الفروع المتعددة فهو يرسل الإشارات من شبكة إلى شبكة أخرى حتى لو كانت هذه الشبكات موصولة بعدد من الشبكات الفرعية فيقوم بتوضيح أفضل الطرق من أجل الحصول على وصول سريع حيث أن هناك جدول توجيه بداخل الموجه مثل الجسر والسويتش و لكنه يمتاز عنهما بعدة أمور منها أنه يعتمد على عنوان الشبكة الـ IP Address بدلاً من العناوين الفردية Mac Address و يستطيع اختيار الطريق الأسرع و الأقصر بين الأجهزة و بين الفروع و الموجهات الأخرى و يسمح بمرور الرسائل الموجهة لجميع المستخدمين Broadcast Messages و تستطيع الموجهات و صل تقنيات مختلفة للشبكات كالإترنت (Ethernet) والتوكن رينغ

(Token Ring) ، هدف الموجه هو فحص البيانات الواردة و اختيار أفضل مسار لها عبر الشبكة ثم تحويلها إلى المنفذ الملائم، والموجهات هي أهم الأجهزة لتنظيم حركة المرور في الشبكات الكبيرة لأنها تمكن أي نوع من الكمبيوترات تقريباً بإجراء اتصال بأي كمبيوتر آخر في أي مكان من العالم! وعندما تتسلم الموجهات حزم البيانات و التي تكون موجهة إلى شبكة بعيدة فإن الموجه الأول يقوم بتوجيه الحزمة إلى الموجه الذي يدير الشبكة البعيدة والمطلوب تسليم الحزمة إليها. بينما تقوم حزم البيانات بالمرور من موجه إلى آخر يقوم الموجه باستخراج عنوان المرسل و المستقبل في الحزمة و يقوم بتغيير هينتهما بشكل يستطيع بروتوكول الشبكة المستقبلية فهمه و التوافق معه، ولكن عملية التوجيه لا تتم وفقاً لهذه العناوين و إنما تعتمد فقط على عنوان الشبكة المرسل و المستقبلية.

تتضمن عملية تحكم الموجة بالحزم ما يلي:

- ١- منع البيانات التالفه من المرور عبر الشبكة.
- ٢- تقليل ازدحام حركة المرور بين الشبكات.
- ٣- من الممكن استخدام نظام عنونة الموجة لتقسيم شبكة كبيرة إلى أقسام أصغر يطلق عليها عادة Subnets.
- ٤- ومن البروتوكولات التي تعمل مع الموجه DECnet Network Layer ،XNS ،Apple Talk ،IPX Protocol.

الفصل الثاني الدراسات السابقة

١-٢ المقدمة :-

تعتبر أنظمة الذكاء الاصطناعي من أكثر الأنظمة استخداماً في حل المشكلات وفي السيطرة على أغلب الأنظمة الهندسية وتستخدم أيضاً في تصميم أنظمة الحماية وهناك العديد من الدراسات والمشاريع التي استخدمت هذا النوع من الأنظمة وتعتبر أيضاً من أحدث الأنظمة المستخدمة في الوقت الحاضر فهي تحاكي تفكير البشر. وهناك ثلاثة أنواع من أنظمة الذكاء الاصطناعي ، وسنتطرق في هذا الفصل الى الدراسات التي أجريت لحل مشكلات التوجيه باستخدام الخوارزميات الجينية.

٢-٢ الدراسات السابقة :-

أجريت العديد من الدراسات في هذا المجال لحل مشكلات التوجيه باستخدام الخوارزميات الجينية وسنذكر هنا مجموعة من هذه الدراسات والمشاكل التي تطرقت اليها كل دراسة وطريقة حل هذه المشاكل والنتائج التي تم التوصل اليها .

١-٢-٢ الخوارزميات الجينية لحل مشكلة التوجيه ونقل طول الموجة في الشبكات (WDM):-

(Nilanjan , Vaibhav and Sugam ,1998)

في هذا البحث تمت دراسة مشكلة التوجيه ونقل طول الموجة الثابتة من خلال الشبكة وتقسيم طول الموجة البصرية المتعددة الإرسال (وهي مشكلة تكمن في طرق البحث التكرارية) وتم حلها باستخدام طرق مبتكرة تتضمن خوارزميات تطويرية، ومن الطرق المتبعة ما يلي:

- طريقة هجينة مبنية على طريق k الأقصر (k-shortest path) لكل من المرسل والمرسل اليه.
- دالة بتكلفة خاصة تعتمد على تردد ظهور عقدة في طرق المرسل - المرسل اليه المختلفة والتي استخدمت في حساب مرونة او لياقة الكروموسوم.

- انتقال نقطة (m-point) m، تستعمل لإبقاء التنوع في فضاء الحل.

نقل طول الموجة من خلال الشبكة الى طرق الإضاءة في الأفراد الأصح ممثلاً باستعمال تقنية الرسم البياني الملون.

تمت مقارنة النتائج الموضوعية المنفردة بتلك المكتسبة والمعروفة بالإرشادية.

لصياغة المشكلة في مجال الأمثلية المتعددة الموضوعية قدم هدف إضافي من متوسط التأخير في كامل الشبكة للعدد المعطى من الزوج المرسل - المرسل اليه، لهذا نحاول تقليل عدد اطوال الموجة بشكل آلي (تحت قيد العدد الكلي لاطوال الموجة في الشبكة) ومتوسط التأخير يستعمل الخوارزميات تطويرية متعددة الموضوعية للحصول على المجموعة التمثيلية للدلول الباريتو المثالية التي يمثل الطرق المثالية للزوج "مرسل - مرسل اليه" فيما يتعلق بكلتا الهدفين. وفي

نموذج النتائج التجريبية تبين دقة الخوارزميات الجينية المستخدمة في هذا البحث، وان تقنية تضاعف انقسام طول الموجة حُصِّنت في السنوات الأخيرة عن طريق محفز قادر على تزويد الكميات الضخمة للموجة في ليف منفرد. وفي الشبكات واسعة النطاق تم استخدام ليزر منظم ومرشحات في عقد الوصول والمفاتيح البصرية والألكترونية لتوجيه العقد.

وعقدة الوصول قد ترسل الإشارات على أطوال الموجة المختلفة التي تتجمع في الليف باستعمال جامعات الأطوال الموجية (Wavelength Multiplexer). أما التحويل الألكتروني ومعالجة الكلف في العقد فيمكن ان يكون بمستوى عالي جدا يؤدي الى تضيق وتحديد تسليم موجة الوصلة البصرية حتى اخر مستخدم. لذا نحن ننظر الى تخصيص قفزة المرور (Single light hop traffic (path) للأزواج المصدر – المرسل اليه. و light path طريق الأضاءة هو كل قناة بصرية قد تعمل لحمل دائرة (Switch traffic) وقد تمتد عبر وصلات الليف المتعددة.

الجانب العملي:-

- تعريف المشكلة: تعطى مجموعة من الأزواج "المرسل - المرسل اليه" والهدف من ذلك هو تقليل عدد الاطوال الموجية المحتاجة لدعم المجموعة المعطاة من طرق الأضاءة للزوج "المصدر – الهدف".

- عناصر التصميم: عناصر الإدخال لهذه المشكلة هي :

١- التبولوجي للشبكة البصرية التي هي عبارة عن مخطط بياني

$$G=(V,E)$$

V يمثل عدد القمم للمخطط البياني، E تمثل عدد الحافات الموجودة في الشبكة

٢- المجموعة $S=\{(i,j)\}$ ، I هو المرسل و j هو المرسل اليه

- الثوابت:

١- ثابت استمرارية طول الموجة (Wavelength Continuity Constraints)

٢- ثابت تضارب طول الموجة (Wavelength Conflict Constraints)

- الخوارزميات الجينية

- مداخل التصميم:

١- اكبر عدد لطول الموجة لكل ليف = m و عدد العقد = n

٢- التبولوجي الطبيعية $(P_{m,n})$ وهي $(P_{m,n} = P_{n,m} = 1)$

٣- مصفوفة المسافة Matrix Space

٤- عدد المرسلات لكل عقدة $i = T_i$ $T_i \geq 1$ ، وعدد المستقبلات في العقدة $i = R_i$ $R_i \geq 1$

٥- مصفوفة المرور Traffic Matrix $\lambda^{(S,D)}$ ، التي تمثل معدل المرور من المصدر الى المرسل اليه

٦- سعة كل قناة = $C(\text{Packets/sec})$

- متغيرات التصميم:

١- التوبولوجي المظهرية Virtual Topology

٢- توجيه المرور Traffic Routing

٣- طريق التوبولوجي الطبيعية Physical Topology Route

٤- لون طول الموجة Wavelength Color

- النتائج:-

تقيم هذه الدراسة فعالية الخوارزميات المقترحة بالحاكاة الشاملة. فشبكات المحاكاة اعتبرت من الشبكات المعاصرة الحقيقية المحفزة مثل ٢٠ عقدة عند وكالة البحوث ARPA (Advanced Research Project Agency)، ١٨ عقدة عند الشبكة الأوروبية البصرية، ١٤ عقدة عند الشبكة البريطانية.

٢-٢-٢ "خوارزميات جينات هجينة لمشكلة التوجيه من نقطة الى عدة نقاط مع طرق انقسام

منفردة" (Pablo and Roger, 1989)

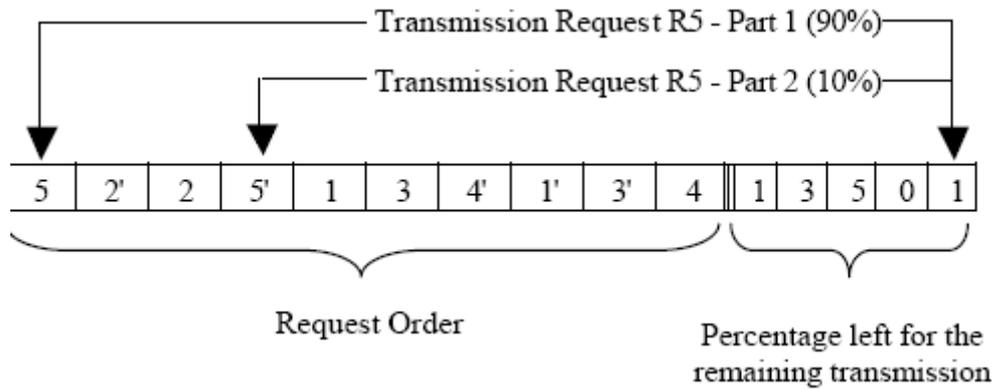
في هذه الدراسة تم طرح او تقديم خوارزميات هجينة تطويرية لحل مشكلة التوجيه من نقطة الى عدة نقاط، وتمت دراسة تطبيق لمشكلة التوجيه من نقطة الى عدة نقاط وتسمى بمشكلة جدولة الرسالة.

ان مشكلة جدولة الرسالة هي عملية جدولة مجموعة من الطلبات من خلال الشبكة حيث ان كل طلب له مصدر وحيد وعدة اتجاهات اي بمعنى اخر مصدر وحيد الى عدة مستلمين.

هذه الخوارزميات لم تعالج كل طلب بشكل مستقل فقط وانما تسمح ايضا بأكثر من طريقين لإرسال موجة الطلب، والخوارزميات الهجينة في هذه الدراسة أستخدمت نوعين من الخوارزميات هما الخوارزميات الجينية وخوارزميات شجرة ستينر الإرشادية لإيجاد اقرب وامثل حل لهذه المشكلة، وتم تصميم كروموسوم ليس فقط ليلائم خيار الاتجاهات المتعددة للطلب وانما ايضا يساهم في كيفية تقسيم الموجة.

الجانب العملي:

الخطوة الأولى في تطبيق هذه الخوارزميات هي تصميم تشفير الكروموسوم، ثم إحداث أو إستحداث كروموسوم بمقطعين، المقطع الأيسر يسمى بمقطع الطلب وهو تقلب الطلبات الجزئية اما المقطع الأيمن يسمى بمقطع النسبة المئوية وهو وتر الرموز المئوية للطلبات، كما هو مبين في الشكل (١-٢)



الشكل (١-٢)

يمثل تشفير الكروموسوم

وتمثل قطعة الطلب أي طلبات جزئية موضوعة في الشبكة. وكل جين في قطعة الطلب يمثل جزء واحد من الطلب.

تم حل مشكلة التوجيه من نقطة الى عدة نقاط مع انشقاق وحيد باستخدام خوارزميات هجينة مكونة من اقل عدد ممكن من خوارزميات شجرة ستينر والخوارزميات الجينية. وال PMRP حل مع الانشقاق الوحيد بواسطة خوارزميات هجينة مستندة على خوارزميات شجرة ستينر Steiner وأيضاً باستخدام الخوارزميات الجينية (GA).

ويتم ذلك بأن تُقرّر الخوارزميات الجينية الامر والتي تُعالج فيها الطلبات وسعة الارسال وكيفية التقسيم الى طريقي الإتصال. أما الكروموسوم المُعطى فيُشير إلى طلب الامر ونسب الإرسال المئوية، وكلّ طلب يتم توجيهه في الطلبات ألمعطاة الى الشبكة باستعمال خوارزميات شجرة ستينر Steiner لتقرير "أفضل" توجيه محتمل. وبعد كل طلب موضوع إلى الشبكة تطرح سعة الإرسال للطلب من قدرة الحافات المستعملة (خطوط إتصال)،

وخوارزميات شجرة ستينر Steiner تستعمل ثانية لوضع الطلب الجزئي القادم ويستمر هذا حتى إنتهاء كل الطلبات توضع في حالة الحل العملي، أو عند عدم القدرة على وضع طلب (حل غير قابل للتطبيق). وفي ما يلي الخوارزمية:

For each *chromosome* in the *population*
 repeat for each *sub-request* in the *request segment*
 for each *edge* in the *network*
 if *sub-request capacity* > *edge capacity*
 remove *edge* from consideration in the *network*
 run Steiner Tree Algorithm for the *sub-request* on *network*
 if the Steiner Tree Algorithm find a tree then
 for each *edge* used in the Steiner Tree
 subtract *sub-request capacity* from *edge capacity*
 add all removed edges
 until (all *sub-requests* have been processed or the
 Steiner Tree Algorithm did not find any tree (path))

صممت وظيفة اللياقة التي تأخذ في الحسبان الكروموسومات العملية وغير القابلة للتطبيق
 (جدولة التوجيه) وفي نفس الوقت تكافئ الجدولة التي يُمكن أن توجد كالعديد من الطلبات
 الأصلية قدر الامكان باستعمال طريق واحد فقط. وظيفة اللياقة للكروموسوم مُعطى بالمعادلة
 التالية:

$$Fitness = (\# \text{ of Complete Requests}) + C \times (\# \text{ of Complete requests with Unique Path})$$

$$\text{where } C < \frac{3}{\text{ChromosomeLength}}$$

This makes $C * (\# \text{ of Complete requests with Unique Path}) < 1$

النتائج:-

البحث السابق على PMRP عمل من قبل Zhuet. ولم يُسمح لأي إرسال مُنقسم.
 والخوارزميات سمحت لكل من الإرسال الكامل والمُنقسم بالتخمين ويجب أن تكون قادرين على
 إعادة إنتاج على الأقل عمل Zhu وربما نحصل على نتائج بمستوى أفضل بإستعمال بعض
 الانكسار المنشق. وإستعمل إختبار datasets لهذا البحث شبكة من ٦١ عقدة ب ١٣٣
 وصله (Dataset 1) وشبكة أخرى من ٦١ عقدة ب ١٠٠ وصله (Dataset 2)، هذه datasets

وُلدت بشكل عشوائي وكلّ وصلة كانت تخصّص كلفة عشوائية من ١ إلى ١٠ وقدرة مرتبة من ١٢ مجموعة الى ٢٠ ولدت الطلبات بشكل عشوائي واستعملت على كل من: الشبكات؛ كل طلب ما كان عنده أكثر من ٨ اتجاهات، لغرض المقارنة، أديرت الخوارزميات في كلتا datasets في بحث Zhu.

الشكل (٢-٢) يبين عدد الطلبات الموجهة من قبل خوارزميات Zhu باستعمال كلتا الـ datasets والخوارزميات التي تستعمل كلتا Datasets ولذلك جُهد Zhu الأفضل كان لتوجيه مجموعة ثانوية من ١٨ طلب الـ ٢٠ من Dataset 1، و مجموعة ثانوية من ١٢ من ٢٠ طلب من Dataset 2.

	Routed
Dataset 1	١٨
Dataset 2	١٢

شكل (٢-٢)

Zhu's PMRP results for Dataset1 and Dataset 2

الشكل (٣-٢) يبين نتائج الخوارزميات الهجينة باستعمال Dataset 1 و Dataset 2 مع مشغلات الانتقال الثلاثة X1, X2, X3. وفي كل من هذه الحالات الست، أديرت خوارزميات الإرسال المفروض المنشق في خمس نسب مئوية مختلفة، على سبيل المثال ٠ % يعني لا يوجد إنشاقات مسموح بها في الخوارزميات (محاكاة عمل Zhu)، ٣١ % تعني احتمال الإرسال في كل الوسائل الذي انقسم إلى جزئين كان ٣١ %. بعد ذلك، النسبة المئوية من إنشاق الإرسال حددت بشكل عشوائي. ١٠٠ % تعني في كل وسيلة يصبح كل طلب منشط الى جزئين. وفي كل حالة اختبارية يكون عدد الطلبات الموجهة معطاة وكم عدد الطلبات الموجهة التي تكون فريدة (لا تنشق).

كما أديرت كل حالة خمسة مرات مختلفة مع اختلاف صغير في النتائج. فأفضل نتيجة (التي حدثت دائماً على الأقل ثلاثة من الخمس مرات) وهي مسجلة في الشكل (٣-٢).

		Dataset1		Dataset2	
		Routed	Unique	Routed	Unique
X1	0%	19	19	14	14
	31%	20	18	15	15
	45%	20	18	16	13
	83%	20	19	16	10
	100%	20	0	16	0
X2	0%	19	19	14	14
	31%	20	15	15	13
	45%	20	14	14	12
	83%	20	7	17	4
	100%	20	0	16	0
X3	0%	19	19	14	14
	31%	20	9	15	12
	45%	20	13	15	13
	83%	20	7	16	3
	100%	20	0	16	0

شكل (٢-٣)

PMRP with single split paths results for Dataset1 and Dataset2 using various crossovers and routing probabilities

النتائج افضل من الذي ذكر من قبل Zhu . ٠ % مداخل لكل عمليات الانتقال في الجدول ٤ . هذا يُمثل كل الطرق الفريدة (لا يوجد إنشاقات). واستطاع الحصول على توجيهه ١٩ باستخدام Dataset 1 وقورن ب ١٨ طلب من قبل Zhu، وتوجيهه ١٤ طلب باستخدام Dataset 2 وقورن ب ١٢ طلب من قبل Zhu. وتوقع واحد بان النتائج التي تم الحصول عليها من الانشاقات تكون ٠% مماثلة إلى نتائج Zhu . في الحقيقة النتائج دبرت لكي تكون المتفوقة. والسبب هو باستخدام تمثيل كروموسومي مختلف لمشكلة. كما هو متوقع، النتائج بينت بالسماح لطلب الارسال لكي يُوجه باستخدام طريقتين محسنين قابلة لاستعمال الشبكة. ل Dataset 1 كان بالامكان توجيهه كل من ٢٠ طلب التي تستعمل كل ثلاثة من المشغلات المنتقلة. علاوة على ذلك، باستخدام Dataset 2 كان بالامكان توجيهه ١٦، ١٧، ١٦ طلب خارج ٢٠ باستخدام المشغلات المنتقلين X1, X2, X3، على التوالي.

٣-٢-٢ "خوارزميات الخريطة في مشكلة التوجيه باستخدام الخوارزميات الجينية"

(James and Terence, 1998)

هذا البحث يبين جيل جديد من مشكلة التوجيه لمشكلة البائع المتجول، وهي جدولة العربية أو التسليم الذي يُعالج قيودهم والتي تكون عادة حلول غير متوافقة تنبذ أو تطبق عامل تعقب مع معالج الكمبيوتر المستهلك. ومشكلة التسليم هي مشكلة تحقيق أمثلية لتخصيص توجيه عربية بين بعض العُقد. وتبحث مشكلة الجدولة عن الحلول بأقصر المسافات أو أقل قدر من الوقت بين العُقد الثابتة للتسليم التي تهتم ببعض القيود: كُـلّ عقدة يجب أن تُزار فقط وعلى الأقل مرة واحدة. ويُحدّد هذا القيد بفضاء الحَلّ المقبول. وجيل الجديد من الحلول يجب أن يتعامل مع حلول مستحيلة، مثل زيارة نقطة مطلب أكثر من مرة وعدم زيارة النقاط الأخرى، عادة هذا الحَلّ بعد التناسق مَبْنُود، أو يقدّم عامل تعقب إلى الحَلّ. والخوارزميات الجينية (GA) تقلد التطور وتحسين الحياة خلال إعادة الإنتاج، فعندما يساهم كل فرد مع معلوماته الجينية ببناء جديد مع اللياقة الخاصة بالبيئة عندها فرص البقاء على الحياة تكون أكثر. هذه هي قواعد الخوارزميات والبرمجة الجينية .

تخصّصت سلاسل Markov لثوكد القواعد النظرية لهذه الخوارزميات فكدل فرد للجيل يمثل حل عملي للمشكلة بحيث يشفر خوارزميات مُتميّزة / البارامترات التي يجب أن تُقيم من قبل وظيفة لياقة.

GA تقوم بالتغيير (تغيير الموقع العشوائي للكروموسوم) والانتقال (تغيير شرائح الكروموسوم بين الأباء) بحيث أفضل الأفراد يكونوا مختارين بشكل مستمر.

بعد متابعة بضعة أجيال، يتفق السكان على الحلول الأفضل للحصول على وظيفة الأداء وتشفير التوجيه الذي يستعمل أعداد حقيقية. أما الكروموسوم يُمكن أن يُشفر سلسلة توجيه العُقد كسلسلة عقد بين [٠.٠, ١.٠]. على سبيل المثال توجيه ٥ عقد حيث تمثل كل قيمة سلسلة عقد لكي تُسلم. الخوارزميات يجب أن تُطبّق في كل جدولة صنف للمشكلة، مثل جدولة العربية، التسليم، مشكلة البائع المتجول، الخ.

٢-٢-٤ “ الخوارزميات الجينية في مشكلة التوجيه ونقل طول الموجه في كل الشبكات البصرية” (Zhong Pan, 1990).

في هذا البحث تطبق الخوارزميات الجينية إلى جزء التوجيه ومشكلة تخصيص طول الموجه في الشبكات البصرية. وتبين النتائج بأن هذه الخوارزميات فعالة في الحصول على الحَلّ الجيد. كما أن تأثيرات قيم البارامتر المتطرفة تُناقش أيضاً. WDM (تقنية جامع تقسيم الطول الموجه) هو حل عملي لسعة الموجه سريعة النمو لشبكات البيانات. ففي شبكة WDM، كل جدول بيانات

ينظم في طول موجة ناقل. والقنوات المختلفة في نفس الليف يجب أن يكون لها أطوال موجية مختلفة. وشبكة الدائرة المنقولة WDM النوع الوحيد لشبكة WDM الذي نشر مفاتيح طول الموجة وتستخدم لتأسيس lightpaths (طريق الاضاءة).

طريق الاضاءة هو إتصال منطقي بين الرسل والمرسل اليه. فطريق اضاءة واحد قد يتوسع على عدة وصلات ليفية، ويجب أن يبقى على نفس طول الموجة خلال الطريق عندما تكون محولات طول موجة غير ظاهرة. هذه الظاهرة تدعى "استمرارية تقيد الطول الموجي". طول موجي واحد يمكن أن يحمل نسب بيانات معينة.

مواصفات المشكلة:

المعطى: التوبولوجي الطبيعية P_{mn} ، حيث $P_{mn} = P_{nm}$ = كلفة وصلة الليف بين العقد m و n . هذه الكلفة تمثل طول الليف بين عقدتين. N عدد العقد في الشبكة.

التوبولوجي الافتراضية وصفت من قبل light paths طريق الاضاءة التي ستبني حيث $(s_i, d_i), i = 1, 2, \dots, N_i$ هو عدد طرق الاضاءة

s_i هو العقدة المصدرية،

و d_i عقدة إتجاه.

الهدف: لإيجاد توجيه كل ل طرق أضاءة $(s_i, d_i): n_{i0}, n_{i1}, \dots, n_{ih_i}$ ، إلى ان يقل طول الموجة المحتاجة حيث $n_{ij}, n_{ih_i} = d_i, n_{i0} = s_i, j \neq 0, h_i$ هي العقد المتوسطة، و h_i عدد القفزات. إعتبار يتضمن الأهداف الثانوية أيضاً لتقليل التكلفة الكلية وإلى تقليل الكلفة القصوى طريق الاضاءة light path.

الفرضيات:

إن شبكة الدائرة المنقولة ساكنة ومحول طول الموجة غير متوفر، لذا إستمراريتها كثنائي قيد طول الموجة يجب أن تبتد. كل من الليف الرابط و طريق الاضاءة له إتجاه. وليس هناك حد على عدد أطوال الموجة، فالليف يمكن أن يحمل. (على أية حال فالمحاولة هو لايجاد الحد الأدنى) كمثال إيضاحي، دعنا ننظر إلى شبكة العقدة ٥ البسيطة في الشكل ١. كل وصلة معتبرة لكي تكون ثنائي الإتجاه (إحتواء ليفيين يذهبان الإتجاه المعاكس). العدد بجانب كل وصلة هو كلفة تلك الوصلة. الخوارزميات الجينية هو نوع من الخوارزميات التي تعتمد على تعليم

الماكنة. تستخدم الكروموسومات (أيضاً مسمّاة الأفراد) في العينة لمُساندة الحلول المحتملة للمشكلة. الوقت يتطوّر، هذه الكروموسومات تعطي فرصاً مختلفة لإعادة إنتاج طبقاً للياقتهم في إعادة الإنتاج كروموسوم واحد فمن المحتمل ان يتغير، أو كروموسومان يُمكن أن ينتقلان. بعد العديد من الأجيال توقع واحد من الكروموسومات أو الحلول القصوية سيظهران من السكان أي هو الحل الأفضل و الذي سيتم اعتماده. على سبيل المثال:
تركيب الكروموسوم:

إن الكروموسوم هو مجموعة الموجهات أو المتجهات ، كل متجهة

$$\begin{bmatrix} P_1 \\ P_2 \\ \vdots \\ P_{NI} \end{bmatrix}$$

$P_i = [n_{i0}, n_{i1}, \dots, n_{ih_i}]$ هو توجيه لطريق الأضواء (s_i, d_i) light path . لذا كل كروموسوم هو حل لمشكلة التوجيه. في التطبيق ، P_i 's هي • وحدث إلى الطول N لذلك الكروموسوم يُمكن أن يُمثل عملياً من قبل مصفوفة.

العينة الأولية:- إن الجيل الأول مُشكّل من طرق الكلفة الدنيا بالإضافة إلى نسخهم القليلة. ووظيفة اللياقة يُمكن أن تُعتبر كوظيفة الهدف التي ستزيد. إن وظيفة اللياقة مكونة من المواد الرئيسية الثلاث، كل منقسم بقيمته المحتملة القصوى، وكل وظيفة لياقة تصف المترية التي من الضروري أن نُقل:

اختيار الجيل القادم:

يُعزّز الاختياراً قاعداً الاختيار الطبيعي على الكروموسومات لكي تُحسن الأوضاع واحداً له فرصة للبقاء أفضل. إن كروموسومات الجيل القادم مختارة من قبل السكان الحاليين عن طريق طريقة تسريع عجلة الروليت.

التغير:

التغير يُعدّل الكروموسوم الوحيد بصورة عشوائية، والكروموسوم الناتج يجب أن يبقى الحل الصحيح . يُقدّم التغير مكونات جديدة وعشوائية إلى كروموسوم الحالي.

الانتقال:

يُعدّل الانتقالُ كروموسومان بتبّادل الأجزاء من الإثنان بشكل عشوائي مع بعضهم البعض. ويُبادل الانتقالُ كتلَ بناء بين الكروموسومات وقد يؤدي إلى سبيل يدمجُ الإستحقاقات لكل من ابويه.

النتائج التجريبية:

إنّ الخوارزميات المُطبّقة في Matlab 6 R 12. والحاسوب المستعمل ٧٠٠ميغاهيرتز AMD Athlon PC with 256Mb RAM and Windows 2000 في الشكل ٢ يبين التوبولوجي الطبيعية لشبكة NSF لها ١٦ عقدة وصلات ثنائية ٢٥ إتجاهية. للبساطة، كلفة أيّ وصلة مُفترضة لكي تكون ١. ونرى من النتائج أعلاه أنه:

١. إذا كان عدد السكان صغيراً جداً، بالرغم من أن الخوارزميات تشغل بسرعة كبيرة، بسبب خسارة التنوع في السكان، أفضل حلّ قد يظهر متأخراً جداً في الأجيال وهذا الحلّ الأفضل ممكن ان يكون اقل مثالية من الذي اكتسب عن طريق عدد السكان الكبير.

٢. إذا كان جيلاً صغيراً جداً، الخوارزميات ليس عندها الوقت الكافي للتطوّر وأفضل نتيجة بعيدة عن الذروة.

٣. إذا كانت نسبة التغير كبيرة جداً، فإن عدم الاستقرار يخفض نوعية السكان، ويجعل اللياقة تتناقص مع الجيل، وأفضل حلّ هو أن يكون قريب من الذروة لأن التنوع ما زال وفيراً، لكنّه يبدو مبكراً ويختفي والجيل النهائي بعيد عن المثالية. كما أن الخوارزميات تأخذ وقتاً أطول بكثير لكي تعمل.

٤. إذا كانت النسبة المنتقلة صغيرة جداً، فإن تبادل كتل البناء بين الكروموسومات لن يتكرّر بما فيه الكفاية وأفضل حلّ قد يكون أقل ذروة.

٥. إذا كانت نسبة التغير كبيرة، تكون الخوارزميات أقل استقراراً. وعليه فإن أفضل حلّ الذي ما زال يعطي جيداً. الخوارزميات أخذت مدة أطول للتشغيل.

٦. إذا كانت النسبة المنتقلة كبيرة، فإن تبادل كتل البناء دائماً يقسم الكروموسوم إلى قسمين ويؤدي إلى تغيير أكثر من اللازم في وقت اتصال المرسل بالمرسل اليه كنتيجة لحل أفضل قد يكون أقل ذروة. في هذا البحث الخوارزميات الجينية تطوّر لمهاجمة مشكلة التوجيه في مشكلة RWA (Routing Wavelength Assignment). وتبين النتائج بأنّ هذه الخوارزميات فعالة في إيجاد الجيد جداً أو القريب من الحلّ الأقصى.

الفصل الثالث

المشكلة و طريقة العمل

١-٣ المشكلة

لنتخيل ما يلي:

اننا في مدينه ونريد الانتقال من مكان الى اخر ونريد ان نختار الطريق الاقصر
ولكن الطريق الاقصر يواجه ازدحام مروري شديد اذن الطريق الاقصر هنا هو حبل سيء
والافضل اختيار طريق اخر اطول ولكن لا يواجه ازدحامات مروريه
فالمشكلة هنا تتمثل في حالة وجود ازدحام على الموجه .

فمعظم الخوارزميات المستخدمة تعتمد الطريق الأقصر لحل المشكلة و لكن إذا اصرينا على ذلك فإنه سيؤدي إلى تحميل الموجه فوق طاقته مما يؤدي الى تأخر العمل و من هنا اتت فكرة الرسالة و هي في حال وجود ازدحام على الموجه فإننا نستخدم الخوارزميات الجينية لإختيار الطريق الافضل و قد يؤدي ذلك الى اخذ وقت اطول و لكنه سيعالج مشكلة الازدحام.

٢-٣ حل مشكلة ازدحام الموجه باستخدام الخوارزميات الجينية

١-٢-٣ المنهج والتطبيق:

مكتبة صنف الجينات الخوارزمية:

استعملت لغات البرمجة لكتابة وتصميم البرنامج وسوف يتم شرح الوظائف والمتغيرات التي استعملت في البرنامج مع بعض الوصف لهم.

بدأنا بإنشاء صنف الخوارزمية الوراثة (المسمى الذي يحتوي أجسام الكروموسوم كمتغيرات ويطبق الطرق الأساسية لعمل الانتقال، إعادة الإنتاج، التغيرات، ويكرّر خلال التطور المحاكى.. عمل الخوارزمية سيكون منظم خلال الوظيفة الرئيسية)

لقد أُنشأت طرق تنظيم المسمّاة بـ (طرق) التي تخزن العقد وكلفة كلّ الطرق. إنّ التركيب التحتي هو صفّ من الأعداد الصحيحة ضمن المدى (٠) إلى العدد الأكبر للعقد. كلّ جسم من هذا التركيب سيكون

- ١- طريق وجينات للصفّ الذين سيكونان العقد التي تستند على ذلك الطريق
- ٢- عدد عشوائي الذي يمثل كلفة ذلك الصفّ (الطريق).

٢-٢-٣ وظائف البرنامج الرئيسية

يمثل هذا الجزء من الرسالة طريقة عمل البرنامج الذي قمت بإنشائه لإخراج النتائج .

١. الرئيس (Main): الوظيفة الأكثر أهمية. واجبات هذه الوظيفة لاظهار القائمة الرئيسية التي تمكن المستعمل من أن يختار عمليات الخوارزمية، وهو يدعو كلّ الوظائف التي طلبها المستعمل من القائمة، لذا هذه الوظيفة لها عبارة مفتاح بكلّ الشروط التي نريد التعامل معها.

٢- الطباعة (Print): تبني هذه الوظيفة الرسم البياني وتخزنها في صفّ ثنائي الأبعاد

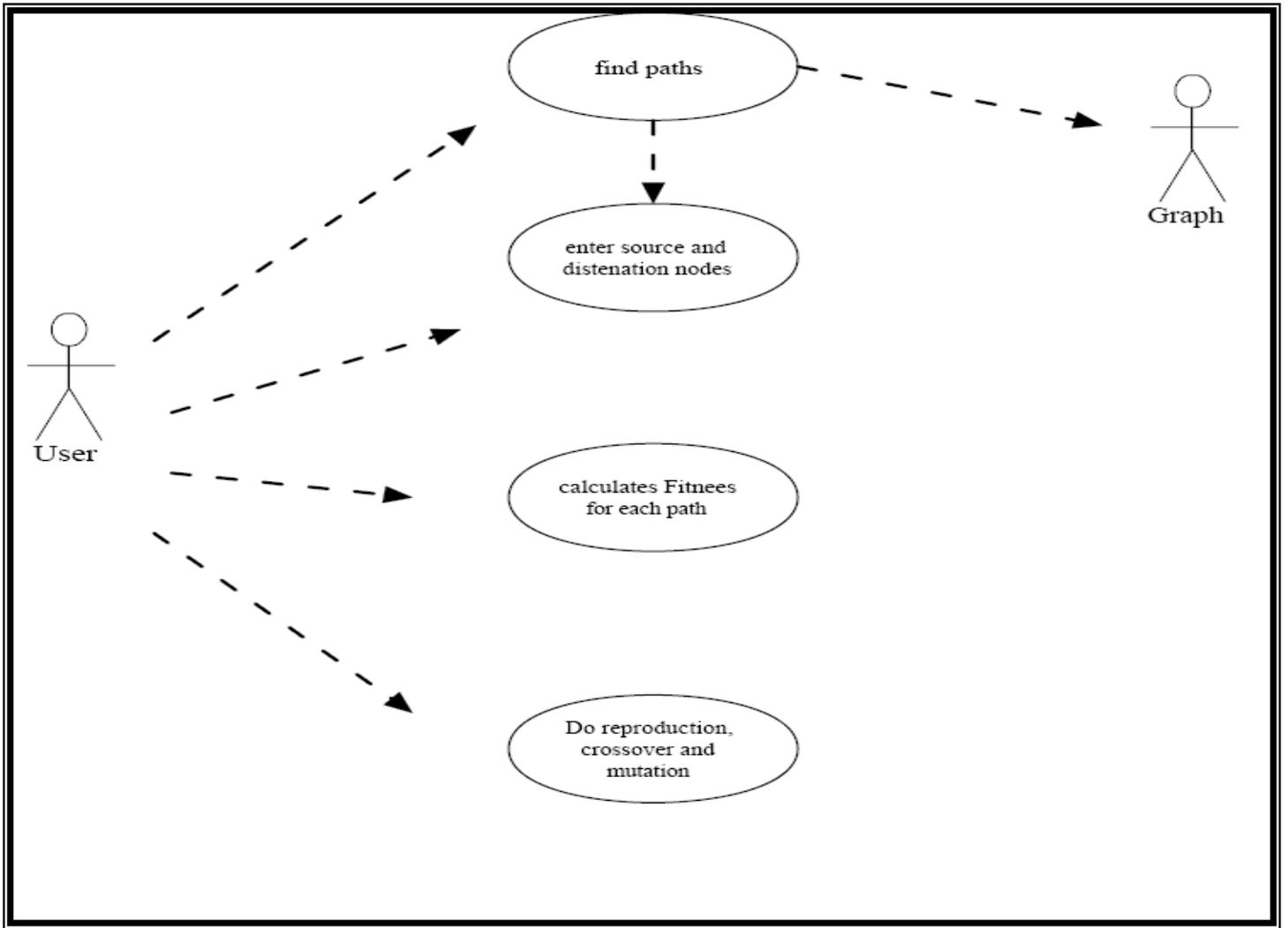
٣- ملء _ رسم بياني (:): تطبع هذه الوظيفة الرسم البياني كقائمة للأعداد ولدت بشكل عشوائي

٤- إيجاد الطريق (Find paths):- تجد هذه الوظيفة كلّ الطرق بين عقدتين أعطيت من قبل المستخدم.

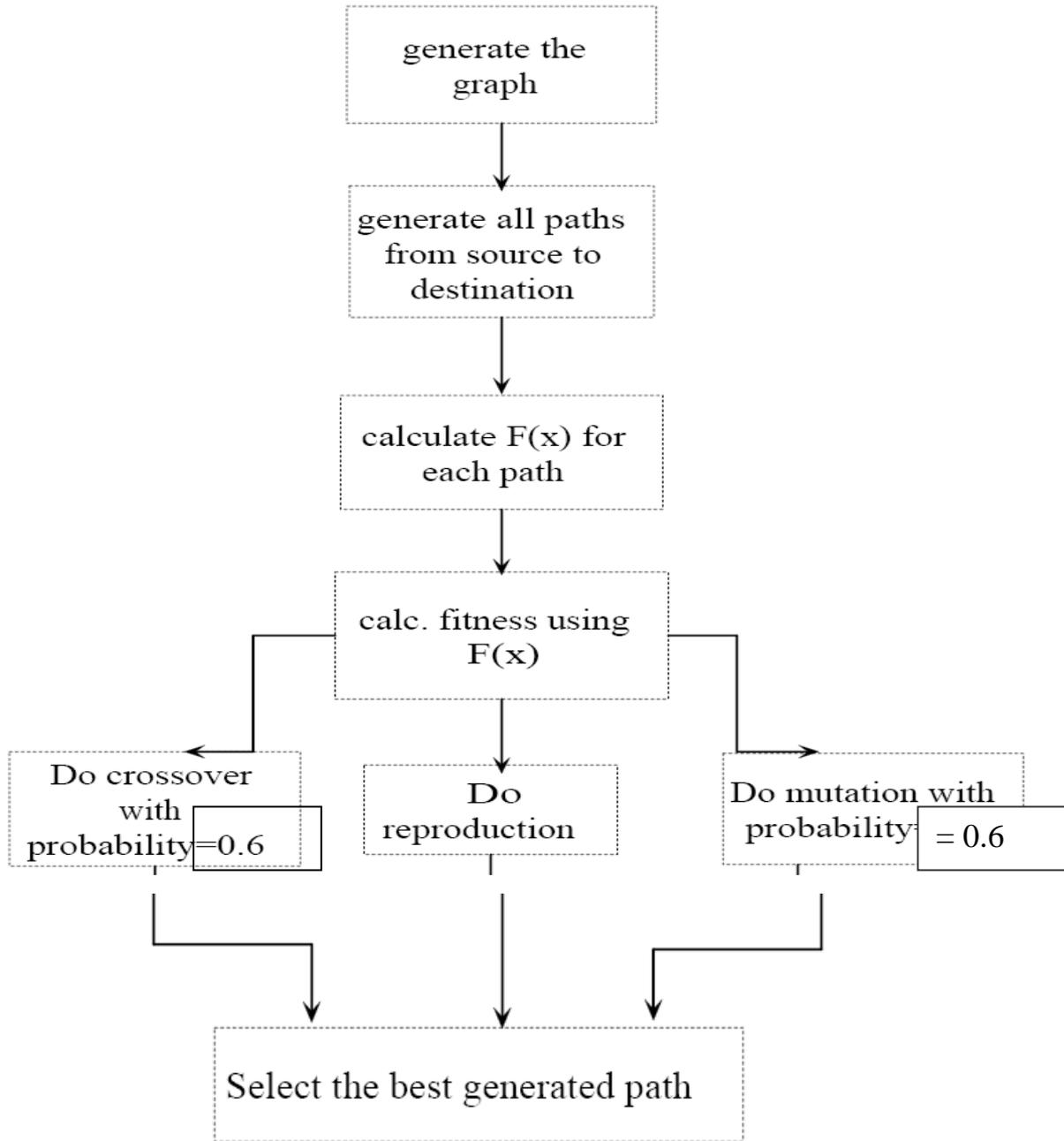
٥- دالة لا ترجع قيمة لإيجاد المجاميع (Void find sums):- بهذه الوظيفة يمكن إيجاد قيمة الكلفة للطريق المعطى بإيجاد طول ذلك الطريق.

٦- إيجاد القيمة القصوى (Find Max - F_x):- هذه الوظيفة تقرّر القيمة القصوى في الشبكة.

٧- التحويل من صيغة الأعداد الصحيحة إلى النظام الثنائي (Int to Bin(Int x)):- باستعمال هذه الوظيفة يمكن التحويل من عشري إلى ثنائي استعمال حالة التخطيط:



الشكل (١-٣)
مخطط لخوارزمية البرنامج.



الشكل (٢-٣) طريقة اختيار أفضل طريق باستخدام الخوارزميات الجينية

الخطوة ١: يولد الرسم البياني مع كلفة كل طريق كما في الشكل (٣-٣). شغل المتغيرات العالمية والسكان هو أن الخطوة الأولى هي لتوليد شبكة (رسم بياني) مع العقد و الكلفة خصّصت بشكل عشوائي إلى الوصلة التي توصل بين عقدتين متتابعين في الطريق. إن موقع كل عقدة شبكية معطى. العقد موثوقة جدا. كل كلفة تثبت وتعرف. كل وصلة هي احادية الاتجاه. ليس هناك وصلات عاطلة في الشبكة.

```

void fill_graph()
{
    for(int i=0;i<row;i++)
    for(int j=0;j<col;j++)
    {
        int test;
        test=1+rand()%1000;
        if(test>400)
        graph[i][j]= 1+rand()%10;
        else
        graph[i][j]=0;

        if(i==j)
        graph[i][j]=0;
    }
    cout<<"The Graph Has Been Built Successfully\n";
}

```

الشكل (٣-٣)

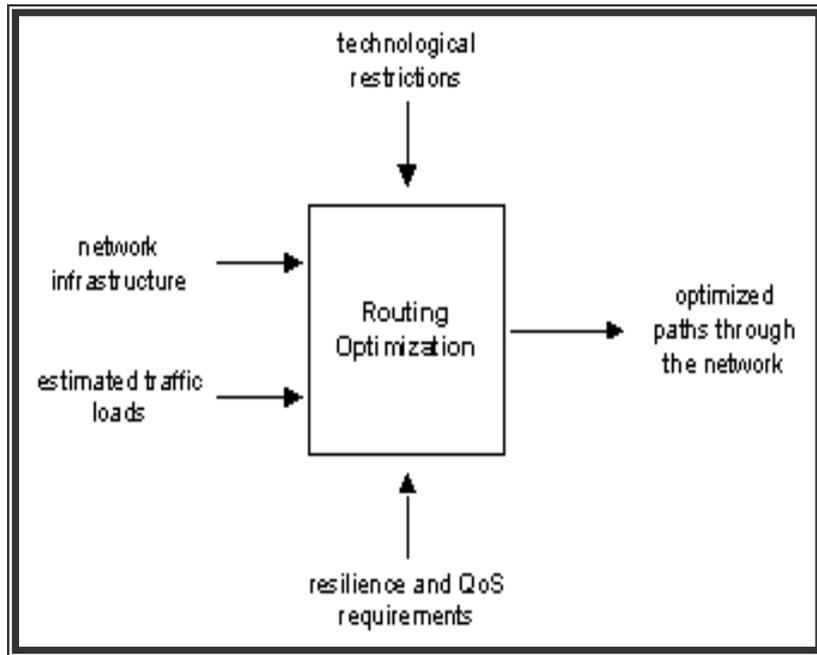
كود يوضح طريقة ملئ الرسم البياني لقائمة الأعداد التي ولدت بشكل عشوائي

هذه الوظيفة تعمل كل هذا العمل باستعمال وظيفة [rand()] و الكلفة ستخصص بشكل عشوائي بين عقدتين.

إذ تعطي الوظيفة العشوائية كلفة = صفر إلى الوصلة الموجودة بين العقدتين فان هذا يشير إلى عدم وجود وصلة توصل بين العقدتين

الخطوة ٢: تختار عقدة الإتجاه والمصدر لتوليد كل الطرق بين العقد المطلوبة، المهمة هي تحسين الطريق في قائمة التوجيه. تزايد أدمال المرور أو إختلافات المرور المؤقتة تسبب الازدحام المحلي، كما أن توجيه تحقيق الأمثلية يمكن أن يستعمل لحل أو على الأقل تخفيف مشاكل أداء الشبكة المحتملة. إن الفكرة هي تعديل الطرق، على طول رزم IP التي تنقل خلال الشبكة، إلى حالات الحمل الحالية، وهكذا، لإستعمال مصادر الشبكة المتوفرة بشكل أفضل.

في هذه الخطوة سيتم اختيار الطريق الذي قد يزدحم. استنادا على البناء التحتي للشبكة. كل الطرق من عقدة الإتجاه والمصدر ستأخذ وهذه الخطوة الأولى للخوارزمية. الطرق البديلة ستدرج في القائمة مع كلفة كل طريق.



الشكل (٤-٣)

طريقة التحسين المستخدمة وعلاقتها بالمتغيرات الخارجية

على سبيل المثال إذا العقدة المصدرية = ٠ وعقدة الإتيان = ٤ فالقائمة ستكون:

جدول (١-٣)

ويمثل المسارات وعدد العقد والتكلفة

X	Paths	No. of nodes (n)	path cost
0	0 - 1 - 2 - 4	4	C1
1	0 - 4	2	C2
2	0 - 3 - 2 - 4	4	C3

هنا كلفة الطريق ستكون مجموع كل الكلف التي خصّصت لكلّ وصلة في الطريق (طول الطريق). عمليات التغير وانتقال الخوارزمية الوراثية سيستعملان هذا الجدول ليؤديان وظائفهما.

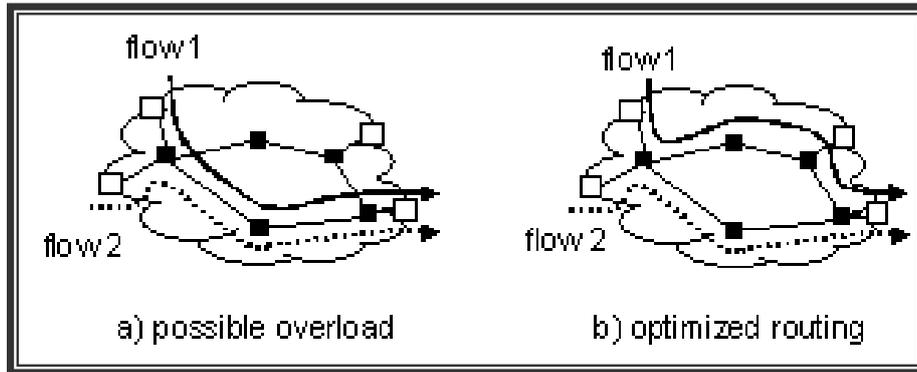
حلّ التوجيه النهائي لا ينجز نوعية خدمة جيدة فقط لكن بأنه متين أيضا بما فيه الكفاية لتزويد النوعية الكافية في الحالات التي تكون فيها الصلات فردية أو العقد الشبكية معطلة.

الخطوة ٣: تحسب لياقة كل الطرق التي وُلدت في الخطوة السابقة. هناك الكثير من توجيه الخوارزميات الذي يعتمد على الكلفة لإيجاد الطريق بين عقدتين مثل Dijkstra تحسب هذه الخوارزمية الطريق الأقصر بين عقدتين تعتمدان على الكلفة لذا الطريق بين كل مصدر وإتجاه دائما يكون الأقصر.

وفي الشكل التالي:

a: تمثل عدد من المسارات المحتملة في التوجيه.

b: تمثل طريقة التحسين للمسارات في التوجيه.



الشكل (٥-٣)

ويمثل تطبيق لخوارزميتان على التدفق المروري

هذا الشكل (٥-٣) يظهر مثال بسيط لتوجيه تحقيق الأمثلية في شبكة مع اثنين من التدفق المروري في الشبكة على الجهة اليسرى، وكل سير مروري يشارك بعدة وصلات، التي تمثل الطريق الأقصر بين كل مصدر وإتجاه، والذي من المحتمل أن يؤدي إلى الحمل الزائد على الطريق الأقصر. على الجهة اليمنى، التوجيه يحلّ في الطريق الذي يملك متدفقين ليس لهما وصلة مشتركة. هذا يؤدي إلى أداء أفضل نموذجيا لسير المرور. بينما الحلّ قد يكون واضح في المثال المعطى، فيصبح صعب جدا للحساب في حالة وجود العشرات من العقد، منات الوصلات، وآلاف طرق المرور الفردي، فالخوارزميات الكفوءة ضرورية لحلّ مشكلة تحقيق الأمثلية.

في الخوارزمية التي تعتمد على الخوارزمية الوراثة التي لم تأخذ الكلفة كمقياس لحساب لياقة الطريق. أخذت مقاييس أخرى لإيجاد طرق أكثر، الذي قد يحلّ المشكلة ويحسن

الشبكة. على سبيل المثال إذا العقدة المصدرية = ٠ وعقدة الإتجاه = ٤ فإن القائمة ستكون كما في الجدول (١-٣).

نقوم بإيجاد $F(X)$ وفق المعادلة التالية $F(X) = (n/\text{number of } n) + (x/\text{number of } x)$ حيث n تمثل عدد العقد و x تمثل عدد الطرق الممكنة.

وهنا نهدف إلى استبعاد الـ (cost) واستبداله بطريقة جديدة وهي استخدام الدالة السابقة والتي تقيس بناء على عدد العقد وعلى رقم المسار الذي يمثل عدد الطرق الممكنة وهي محاولة لإيجاد وسائل جديدة لقياس أفضلية المسار عن غيره من المسارات الأخرى.

بعد إيجاد F_x لكل طريق محتمل فإن اللياقة لكل واحد تحسب كما في المثال الآتي:

وهنا يتم إيجاد دالة التقييم كمعيار لضبط القيم ومدى اتصالها ببعضها البعض.

$$Fitness = \frac{F_x}{Max.F_x}$$

حيث ماكس F_x : الحد الأعلى من F_x في القائمة لذا إحدى الطرق التي لها الحد الأعلى

$$F_x \text{ سيعطي لياقة } = 1$$

على سبيل المثال يفترض الحد الأعلى $F_x = 0.68$ فينتج

$$F_x = 0.68 \text{ then } \frac{0.68}{0.68} = 1$$

الجدول النهائي سيكون كالتالي

جدول (٢-٣)

يمثل عمليات الخوارزميات الجينية

الخطوة ٤: يعمل على إعادة إنتاج وانتقال وتغير لإنتاج أفضل حل. تعطي عمليات الخوارزمية الوراثة كل الجينات في الكروموسوم احتمالية (جيد أو ضعيف) للظهور في النسل. ومن

X	Paths	No. of nodes (n)	F(x)	<u>Fitness</u>	path cost
0	0 - 1 - 2 - 4	4	F(1)	F1	C1
1	0 - 4	2	F(2)	F2	C2
2	0 - 3 - 2 - 4	4	F(3)	F3	C3

الممكن ان يتم تغيير طلب الكروموسومات ويتم تبادل الجينات بين الكروموسومات. هذه العملية ممكن ان تنتج نسل جيد أو سيئ يعتمد ذلك على الكروموسومات وطلب الجينات داخل الكروموسومات. هذه العمليات تشمل إعادة إنتاج وانتقال وتغير.

٣-٢-٣ إعادة إنتاج (الإختيار): -

إعادة الإنتاج (الإختيار) هو مشغل ينوي تحسين النوعية المتوسطة للسكان بإعطاء الكروموسومات العالية النوعية لديها فرصة أفضل بأن تصبح منسوخة إلى الجيل القادم. الإختيار بذلك يركّز الإستكشاف على المناطق الواعدة في فضاء الحل. إختيار الضغط يميز إختيار المخططات. ويعرف بأنه نسبة إحصائية إختيار أفضل كروموسوم في السكان إلى معدل الكروموسوم كما في الجدول (٢-٣).

لذلك يؤدي إختيار الضغط العالي إلى موازنة تأثير السكان بسرعة جداً، لكنه حتماً يخسر التنوع الوراثي.

الإختيار يلتقط الكروموسومات مستندة على لياقتهم وعلى العدد العشوائي لها وفق ما يلي :

$R_n = \text{Rand}()$ → → R_n is a random number

if $R_n < \text{Fitness}$;

Select the path as a solution ;

Else

Skip the path ;

و الشكل (٦-٣) يوضح الكود الخاص بإعادة الإنتاج.

```

while (p < pathsCounter2)
{
    r = (rand () % 1000) / (double)1000;
    for (int j = 0; j < pathsCounter2; j++)
    if (fitness[j] > r)
    {
        reproductionPaths[p] = j;
        p++;
    }
}

```

الشكل (٦-٣)

يمثل الكود الخاص بإعادة الانتخاب

Reproduction

عادة قائمة الطرق ستكون مجهزة في هذه الخطوة كالطرق السينة الكثيرة.

٣-٢-٤ الانتقال :-

```

PC = 0.6          → → → PC is probability of crossover
Rn = Rand();
if Rn < PC
do crossover
else
skip this pare

```

الشكل (٧-٣)

يمثل الكود الخاص بالانتقال crossover

يفحص الانتقال الحلول الحالية لكي يجد الأفضل بينها. كما أن الانتقال في مشكلة توجيه SP يلعب دور تبادل لطريق جزئي من كروموسومين مختارين وفي مثل هذا الأسلوب فإن الذسل الذي أنتج بالانتقال يمثل فقط طريق واحد. وهذا يملي اختيار انتقال النقطة الواحدة كمخطط جيد ومرشح للباب المقترحة كطريق جزئي واحد يوصل العقدة المصدرية إلى عقدة متوسطة، ويوصل الطريق الجزئي التالي العقدة المتوسطة إلى عقدة الإتجاه.

الانتقال بين أبين مهيمين اختيار عن طريق الاختيار يعطيان احتمال أعلى من الذسل المنتج سيكون عندهما ميزات مهيمنة. لكن آلية الانتقال ليست تماما مثل التي تم خلالها انتقال نقطة واحدة تقليدية. في المخطط المقترح ليتم إختيار كروموسومين للانتقال يجب أن يكون عندهما على الأقل جين مشترك واحد (عقدة) ما عدا عقد الإتجاه والمصدر، لكن ليس هناك متطلب للذين يكونون واقعين في نفس المكان. لذلك الانتقال لا يكون معتمد على موقع العقد في توجيه الطرق.

(١) احتمال الانتقال يساوي إلى ٠.٦ (٦٠%) في هذه العملية، الكروموسومات ستكون عدد الطريق في قائمة الطرق البديلة للطريق المعطى في المشكلة كما الجدول (٣-٢) فينتج :

X	Paths	No. of nodes (n)	F(x)	<u>Fitness</u>	path cost
0	0 - 1 - 2 - 4	4	F(1)	F1	C1
1	0 - 4	2	F(2)	F2	C2
2	0 - 3 - 2 - 4	4	F(3)	F3	C3

0 → 0000

0	1	0	0
---	---	---	---

1 → 0001

0	0	0	2
---	---	---	---

2 → 0010

0	0	1	0
---	---	---	---

(٢) الانتقال في مشكلة التوجيه يلعب دور تبادل كل من الكروموسومين المختارين. خوارزمتنا تقسم قائمة الطرق البديلة إلى أزواج الكروموسومات.

٣) لكل ملقم هناك عدد عشوائي (R_n) مولد، إذا كان ذلك العدد العشوائي أصغر من PC فإن الإنتقال سيشغل على تلك الأزواج.

X	Paths	No. of nodes (n)	F(x)	<u>Fitness</u>	path cost
0	0-1-2-4	4	F(0)	F0	C0
1	0-4	2	F(1)	F1	C1
2	0-1-4	3	F(2)	F2	C2
3	0-3-2-4	4	F(3)	F3	C3

الشكل (٣-٨)

يمثل رقم المسار وعدد العقد والدالة ودالة التقييم والتكلفة

٣-٢-٥ التغيير:

تمرّ الكروموسومات بالتغير بتغيير فعلي أو تقليب أحد الجينات، بذلك يبعد عن المثالية المحلية. عملياً، يولد طريقاً بديلاً من عقدة التغير إلى عقدة الإتجاه في هذه الخوارزمية. (١) احتمال التغير (PM) ٠.٧ (٧٠%). كل طريق في قائمة الطرق البديلة سيكون عبارة عن كروموسوم.

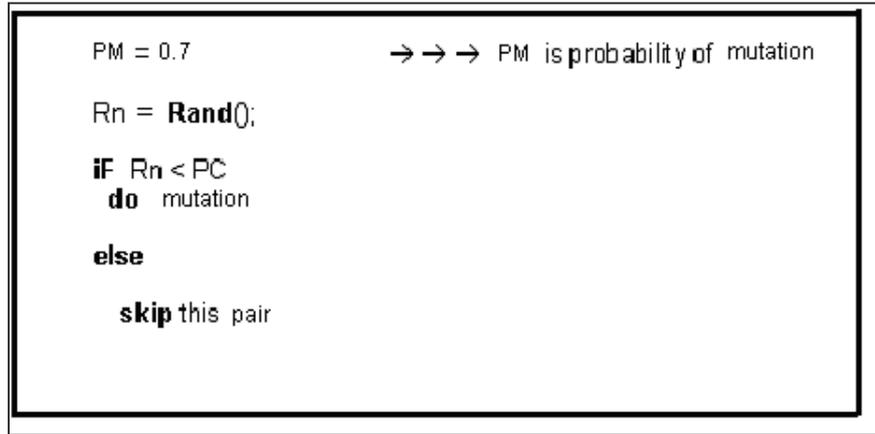
0 → 0000

0	0	0	0	0
---	---	---	---	---

1 → 0001

0	0	0	0	1
---	---	---	---	---

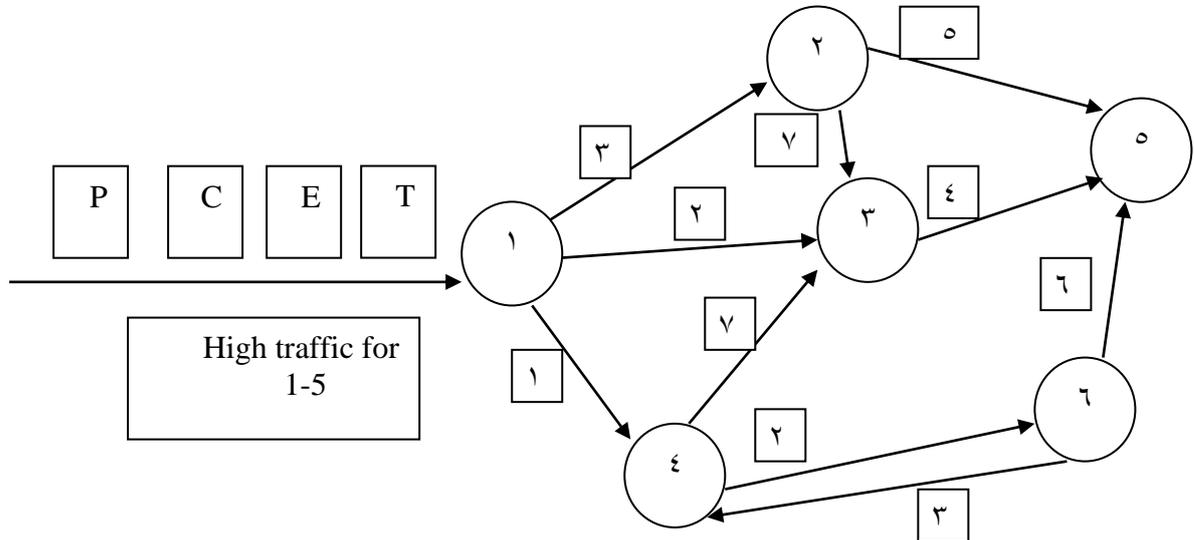
٢) لكل كروموسوم عدد عشوائي (R_n) مولد. إذا كان هذا R_n أصغر من PM فإن التغير سيشغل على ذلك الكروموسوم.



الشكل (٩-٣)

الكود الخاص بالتغيير mutation

٦-٢-٣: مثال متكامل يبين طريقة العمل:



الشكل (١٠-٣) مثال توضيحي لعمل الموجه

من الشكل (١٠-٣) ينتج لدينا الجدول التالي للمسار من ٥-١:

جدول (٣-٣)
Routing table

X	Path	Cost	No. node	Evl (x)	fitness	
١	٥-٢-١	٨	٣	نحسب كل واحد كما في الأسفل	٠.٨	
٢	٥-٣-١	٦	٣			
٣	٥-٦-٤-١	٩	٤			
٤	٥-٣-٤-١	١٢	٤			
10						

و هنا استثنينا cost من Evl (x) و استبدلناها بال node .
و قمت بحساب Evaluation function (تمثل عناصر الكفاءة) كما يلي:

الشكل العام: $Evl(x) = (x/\text{total number of } x) + (n/\text{total number of } n)$
حيث أن x تمثل رقم المسار و n تمثل عدد العقد في المسار.

$$Evl(1) = 6/3 + 1/4$$

$$Evl(2) = 6/3 + 2/4$$

و هكذا.....

الآن نقوم بحساب fitness لكل واحد وفق المعادلة $fit(x) = Evl(x) / \max(Evl(x))$
أكبر $Evl(x)$ حصلنا عليه $Max(Evl(x))$:

١- طريقة اختيار أفضل مسار:

Fitness > IF Rn

Select string(x)

Else

Go to next string

و هنا أول شي نقوم بتحويل رقم الطريق (x) إلى binary no. كالآتي:

١- لدي أربع مسارات فقط (مثلا)

٢- $fitness = 0.8$ (دالة الكفاءة)

٣- يجب إن يكون عدد الحلول الناتجة مساوية لعدد الحلول المعطاة

إعادة العملية	Rn لكل واحد و نقارنه	رقم المسار بالنظام الثنائي
---------------	----------------------	----------------------------

٠٠١ ٠٠٠٠	٠.٧	٠.٧
٠٠١٠ ٠٠٠٠	٠.٩	٠.٨
٠٠١١ ٠٠٠٠	٠.٦٩	٠.٨
٠١٠٠ ٠٠٠٠	٠.٩	٠.٥

من الجدول أعلاه و بناء على الخوارزمية المعطاة فإننا سوف نأخذ الحل الأول و الثالث فقط و لذلك نقوم بتكرار العملية حتى ينتج لدي أربع حلول .
و يسمح بالتكرار و بالعكس كلما تكرر حل أصبح الأفضل و الفرصة له اكبر.

فينتج لدينا الجدول التالي:

٠٠٠١ ٠٠٠٠
٠٠١١ ٠٠٠٠
٠٠٠١ ٠٠٠٠
٠١٠٠ ٠٠٠٠

٢ - التقاطع:

و هنا لا يوجد خوارزمية معينة للعمل و لكن نأخذ الحلول التي نتجت لنا في الخطوة (١) و نعمل لها التقاطع كالتالي:

<table border="0"> <tr> <td>—</td> <td>{</td> <td>٠٠٠١ ٠٠٠٠</td> <td> </td> <td>٠</td> </tr> <tr> <td></td> <td></td> <td>٠٠١١ ٠٠٠٠</td> <td> </td> <td>٠</td> </tr> </table>	—	{	٠٠٠١ ٠٠٠٠		٠			٠٠١١ ٠٠٠٠		٠
—	{	٠٠٠١ ٠٠٠٠		٠						
		٠٠١١ ٠٠٠٠		٠						
<table border="0"> <tr> <td>—</td> <td>{</td> <td>٠٠٠١ ٠٠٠٠</td> <td> </td> <td>٠</td> </tr> <tr> <td></td> <td></td> <td>٠١٠٠ ٠٠٠٠</td> <td> </td> <td>٠</td> </tr> </table>	—	{	٠٠٠١ ٠٠٠٠		٠			٠١٠٠ ٠٠٠٠		٠
—	{	٠٠٠١ ٠٠٠٠		٠						
		٠١٠٠ ٠٠٠٠		٠						

و هنا أقوم بعمل تقاطع كما في الأعلى لكل الحلول و لكن إذا كان لدي حالة فريدة فإنني أقاطعها مع الحل رقم (١).
فينتج:

٠٠٠١ ٠٠٠٠
٠٠١١ ٠٠٠٠
٠٠٠٠ ٠٠٠٠
٠١٠١ ٠٠٠٠

و هنا كلها متساوية في الأفضلية و لكن عندما يكون لدي مجموعة من الحلول فقد ينتج لدي حل اكثر افضلية أي مكرر اكثر .

٣ - التغيير:

و هنا نعتمد الخوارزمية المشهورة :

Pm : probability for mutation-١

احتمالية حدوث طفرة و هي عادتاً = ٠.٦

Pm=0.6

G:

then Pm > IF Rn

Chang (0 to 1) or(1 to 0) for each bit

أي نأخذ Pm لكل bit من كل حل فإذا كانت أقل أو تساوي ٠.٦ فإننا نطبق الخوارزمية و لا نترك ال bit على حاله.

وهنا الحل الذي يتكرر في الثلاث حالات هو الذي يكون الأفضل و نعتمده.

الفصل الرابع

النتائج و التوصيات

٤-١ المقدمة:-

إحدى التحديات المركزية لعلوم الحاسبات هي ان تصبح الحواسيب تعمل ما يتطلب عمله، كما أن البرمجة الجذرية هي عنوان هذا التحدي بتزويد طريقة خلق أو إبداع آلية لعمل برامج

الحاسوب من حالة المشاكل عالية المستوى الى حالة المشكلة البسيطة. تنجز البرمجة الجينية هذا الهدف من البرمجة الآلية (احياناً تسمى بتأليف البرنامج أو حث البرنامج)، وتتضمن العمليات الجينية انتقالاً (إعادة المجموعة الجنسية)، تغير، إعادة إنتاج، مضاعفة جين، وحذف جين.

٤-٢ الخطوات التحضيرية للبرمجة الجينية:-

يقدم المستخدم بيان المشكلة إلى نظام البرمجة الوراثي بأداء بعض الخطوات التحضيرية الواضحة المعالم. تتطلب الخطوات التحضيرية الخمس الرئيسية الأساسية للبرمجة الجينية المستخدم بتحديد ما يلي:-

١- مجموعة المحطات الطرفية ومثال ذلك (المتغير المستقل من المشكلة، الثوابت العشوائية) لكل فرع من فروع إخراج أو استنباط البرنامج.

٢- مجموعة الوظائف البدائية لكل فرع من فروع إخراج أو استنباط البرنامج.

٣- قياس التقييم : بشكل واضح أو قياس لياقة الأفراد ضمنياً في العينة.

٤- عوامل معينة للسيطرة على التنفيذ (تنفيذ البرنامج).

٥- معيار وطريقة الإنهاء لتعيين نتيجة التنفيذ (تنفيذ البرنامج).

٤-٣ الخطوات التنفيذية للبرمجة الجينية:-

تبدأ البرمجة الجينية نموذجياً مع جيل من البرامج الحاسوبية المتولدة العشوائية تتكوّن من المكونات البرمجية المتوفرة. البرمجة الجينية تحول بشكل تكراري جيل برامج الحاسوب الى جيل جديد بتطبيق نظائر الحدوث الطبيعية للعمليات الجينية. هذه العمليات تطبق على فرد أو أفراد اختيرت من الجيل، ويكون اختيار الأفراد احتمالياً للمشاركة في العملية الجينية بالإعتماد على اللياقة (كما هو مقاس من قبل إجراء اللياقة المزود من قبل المستخدم في الخطوة التحضيرية الثالثة).

إنّ التحويل التكراري للجيل ينفذ داخل الحلقة الجيلية الرئيسية لإدارة البرمجة الجينية.

إنّ الخطوات التنفيذية للبرمجة الجينية (المخطط الإنسيابي من البرمجة الوراثية) هي كالتالي:

(١) يخلق جيل أولي بشكل عشوائي (جيل ٠) من برنامج حاسوب أولي متكوّن من الوظائف المتوفرة والمحطات الطرفية.

(٢) يؤدّي الخطوات الثانوية التالية بشكل تكراري على الجيل حتى معيار الإنهاء :

(أ) ينفذ كل برنامج في الجيل ويتحقق من لياقته (بشكل واضح أو ضمناً)

(ب) إختيار واحد أو إثنان من برنامج أو برامج الفرد من الجيل مع إحصائية مستندة على اللياقة (إمكانية إعادة الإختيار ممكنة) للمشاركة في العملية الجينية في النقطة التالية.

(ت) خلق برنامج فردي جديد (برامج فردية) للجيل بتطبيق العملية الجينية التالية مع إحصائية محددة:

* إعادة إنتاج : ينسخ البرنامج الفردي المختار الى الجيل الجديد

* إنتقال : خلق برنامج نسل جديد (برامج نسل جديد) للجيل الجديد بأعادة توحيد الأختيار العشوائي للأجزاء المختارة من البرنامجين المختارين.

* تغيير : خلق برنامج نسل جديد واحد للجيل الجديد بتغيير عشوائي للأجزاء المختارة عشوائيا لبرنامج مختار واحد.

* المعمارية او عمليات التعديل Architecture-altering operations : وتكون بأختيار معماريين او عملية تعديل من الأحتياطي الموجود مثل هذه العمليات وخلق برنامج نسل جديد واحد للجيل الجديد تكون بتطبيق عملية تعديل المعمارية لبرنامج مختار واحد.

(٣) بعد تحقيق معيار الأنهاء، أفضل برنامج منفرد في الجيل المنتج خلال التنفيذ (أفضل فرد لحد الآن) يصنف كنتيجة للتنفيذ. اذا كان التنفيذ ناجح ممكن ان تكون النتيجة هي الحل (او الحل التقريبي) للمشكلة.

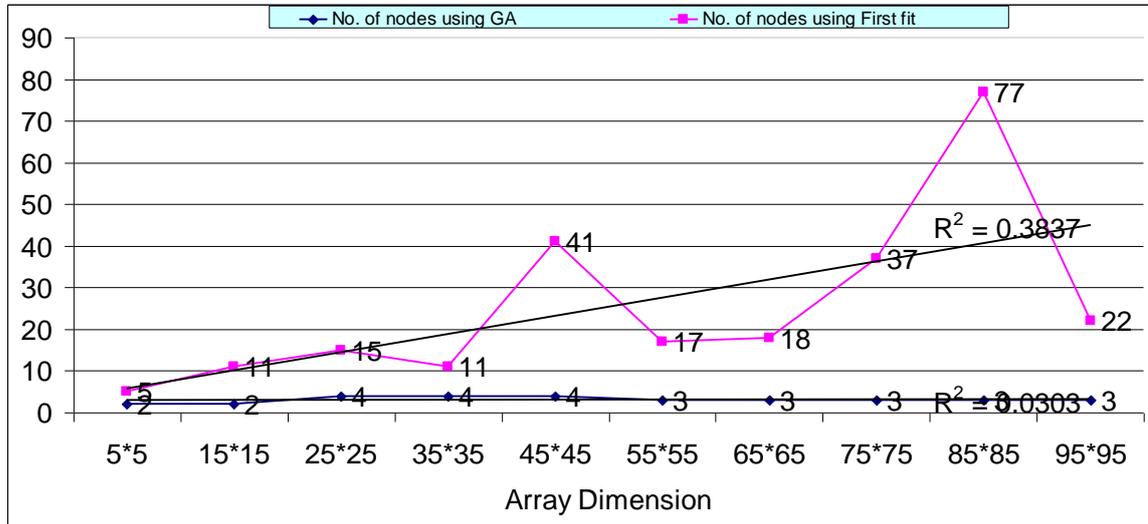
٤-٤ النتائج العملية

جدول (٤-١)

يبين مقارنة بين استخدام طريقة الخوارزميات الجينية (GA) وطريقة (First Fit) مع عدد مختلف من العقد

Array dimension	No. of nodes Using GA	No. of nodes Using first fit	Improvement
5*5	2	5	60%
15*15	2	11	81.8%
25*25	4	15	73.3%
35*35	4	11	63.6%
45*45	4	41	90%
55*55	3	17	82%
65*65	3	18	83%
75*75	3	37	92%
85*85	3	77	96%
95*95	3	22	86%
نسبة التحسين الكلية			<u>80.7%</u>

نلاحظ من الجدول (١) ان نسبة التحسين الكلية بلغة ٧.٨٠ و السبب في ذلك ان طريقة GA تأخذ في عملية البحث الطريق ككل (path by path) اما في الطريقة الثانية فإنها تفحص كل عقدة على حدا (node by node).



شكل (٤-١): يمثل العلاقة بين عدد القعد في الخوارزميات الجينية مع طريقة First Fit

هنا تم حساب العلاقة في التغير لكل من الخوارزميتين و هو قانون مثبت في EXCEL او

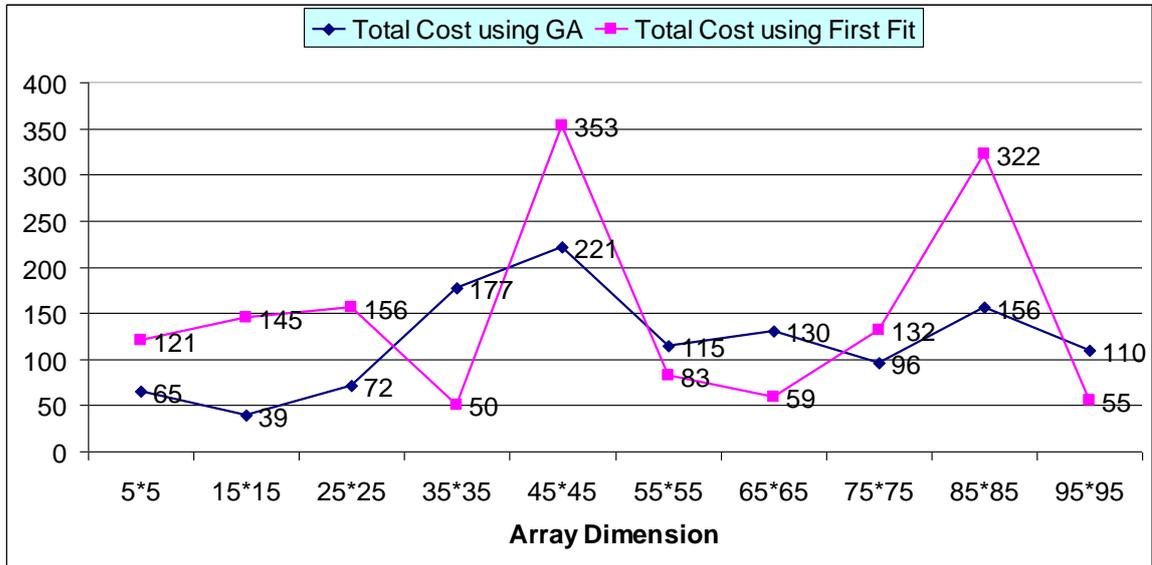
Math lab

جدول رقم (٢-٤) يبين المقارنة بالكلفة بين الطريقتين السابقتين

Array dimension	Total Cost Using GA	Total Cost Using first fit	Improvement
5*5	65	121	46%
15*15	39	145	73%
25*25	72	156	53%
35*35	177	50	0%
45*45	221	353	37%
55*55	115	83	0%
65*65	130	59	0%
75*75	96	132	27%
85*85	156	322	52%
95*95	110	55	0%
نسبة التحسين الكلية			<u>28.8%</u>

نلاحظ من الجدول (٢) أن نسبة التحسين الكلية بلغة ٢٨.٨ و نلاحظ أيضا ان التحسين ينقسم الى ثلاث فترات و هي:

- ١- (٥*٥ - ٢٥*٢٥) : في هذه الفترة يكون استخدام الخوارزميات الجينية ممتاز.
- ٢- (٣٥*٣٥ - ٦٥*٦٥): في هذه المرحلة يفضل عدم استخدام الخوارزميات الجينية.
- ٣- (٧٥*٧٥-٩٥*٩٥) : في هذه المرحلة استخدام الخوارزميات الجينية جيد و يمكن استخدامها كحل بديل لل (first fit).



شكل (٤-٢): يمثل علاقة التكلفة الكلية في طريقة الخوارزميات الجينية مع طريقة First Fit

جدول رقم (٣-٤)

يبين عدد العقد للخوارزميات الجينية عند تغير المصدر واتجاه المستقبل لمصفوفة (١٠*١٠)

Source node No.	Destination node No.	No. nodes	Total Cost
0	9	2	94
0	6	6	278
0	7	7	260
1	5	2	49
4	9	5	207

جدول رقم (٤-٤)

يبين عدد العقد لك (First Fit) عند تغير المصدر واتجاه المستلم لمصفوفة (١٠*١٠)

Source node No.	Destination node No.	No. nodes	Total Cost
0	9	8	257
0	6	6	144
0	7	6	232
1	5	4	34
4	9	2	25

جدول رقم (٥-٤)

يبين المعدل والـ STD وكذلك القيم القصوى والصغرى لحالة الاختبار

Array dimension	mean	STD	min	max
5*5	1	0.7239	0.4881	1
15*15	0.0168	0.0039	0.0045	0.0267
25*25	0.0465	0.0114	0.0156	0.0700
35*35	0.0385	0.0117	0.0145	0.0581
45*45	0.0870	0.0264	0.0351	0.1411
55*55	0.0426	0.0180	0.0212	0.0833
65*65	0.1429	0.0279	0.1024	0.2093
75*75	0.1429	0.0397	0.0664	0.2068
85*85	0.1429	0.0225	0.0960	0.1719
95*95	0.2222	0.0735	0.0703	0.3103

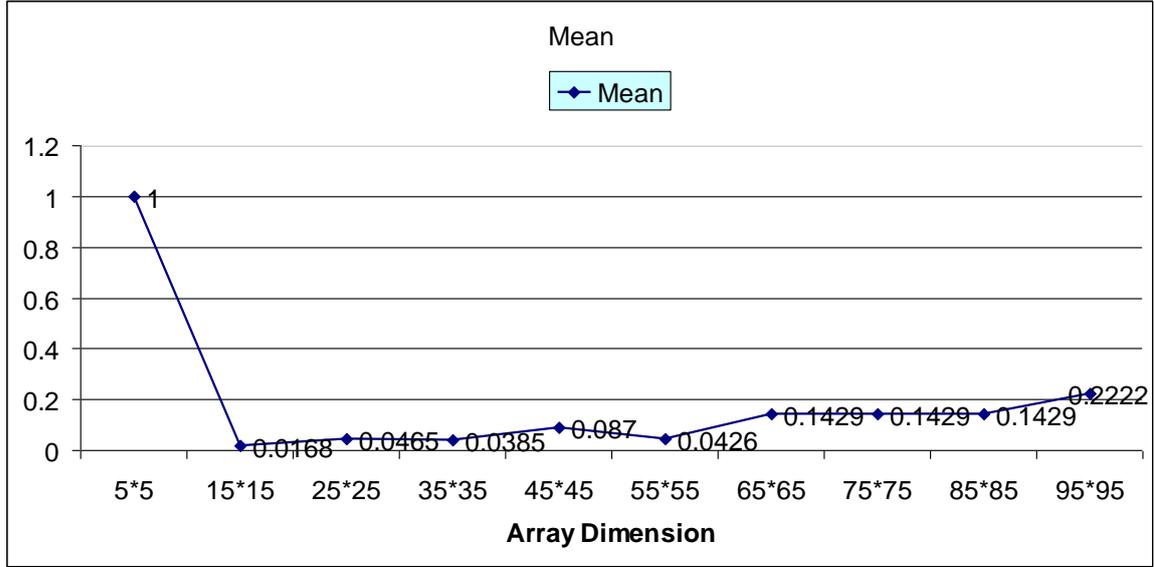
توضيح STD (Standard Deviation) :

الانحراف المعياري لمجموعة من n رقم X_1, X_2, \dots, X_n يعبر عنها بالرمز S تعرف بما يلي :

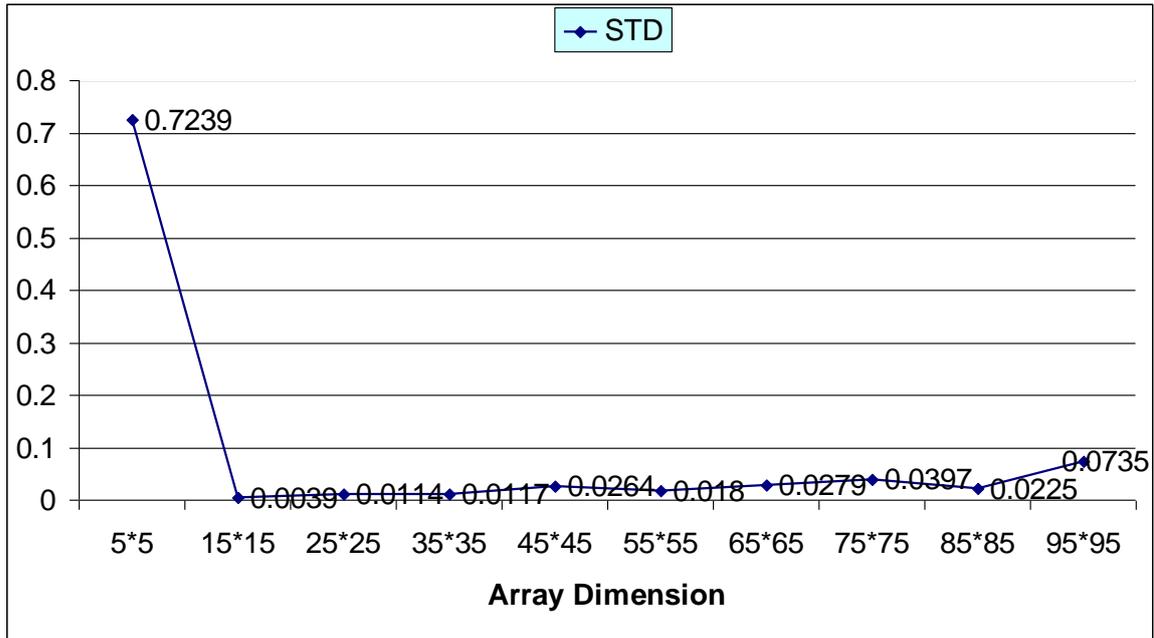
$$S = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n (X_i - \bar{X})^2}{n-1}} = \sqrt{\frac{\Sigma(X - \bar{X})^2}{n-1}} = \sqrt{\frac{\Sigma X_i^2}{n-1}}$$

حيث أن X_i تمثل انحرافات كل رقم X_i عن \bar{X}

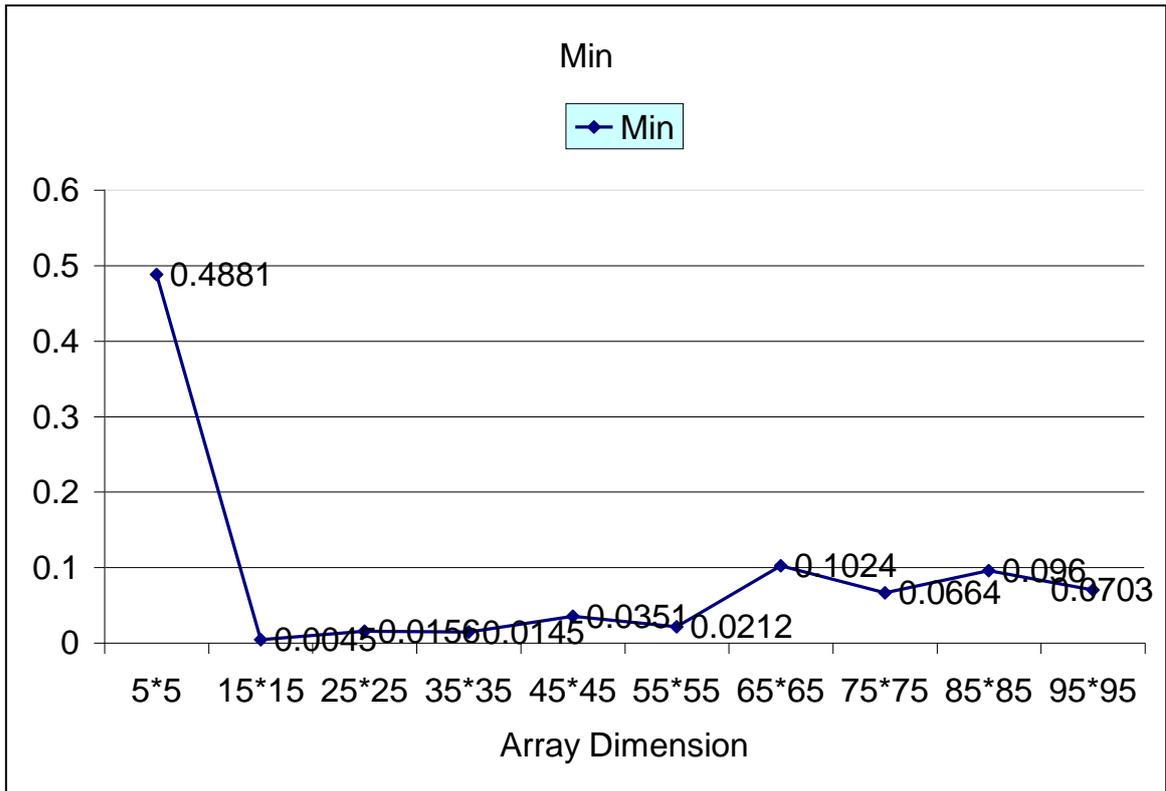
وعلى هذا فان S هي الجذر التربيعي لمتوسط مربعات انحرافات القيم عن وسطها الحسابي ويسمى أحياناً جذر متوسط مربع الانحراف (Dominick, 1982).



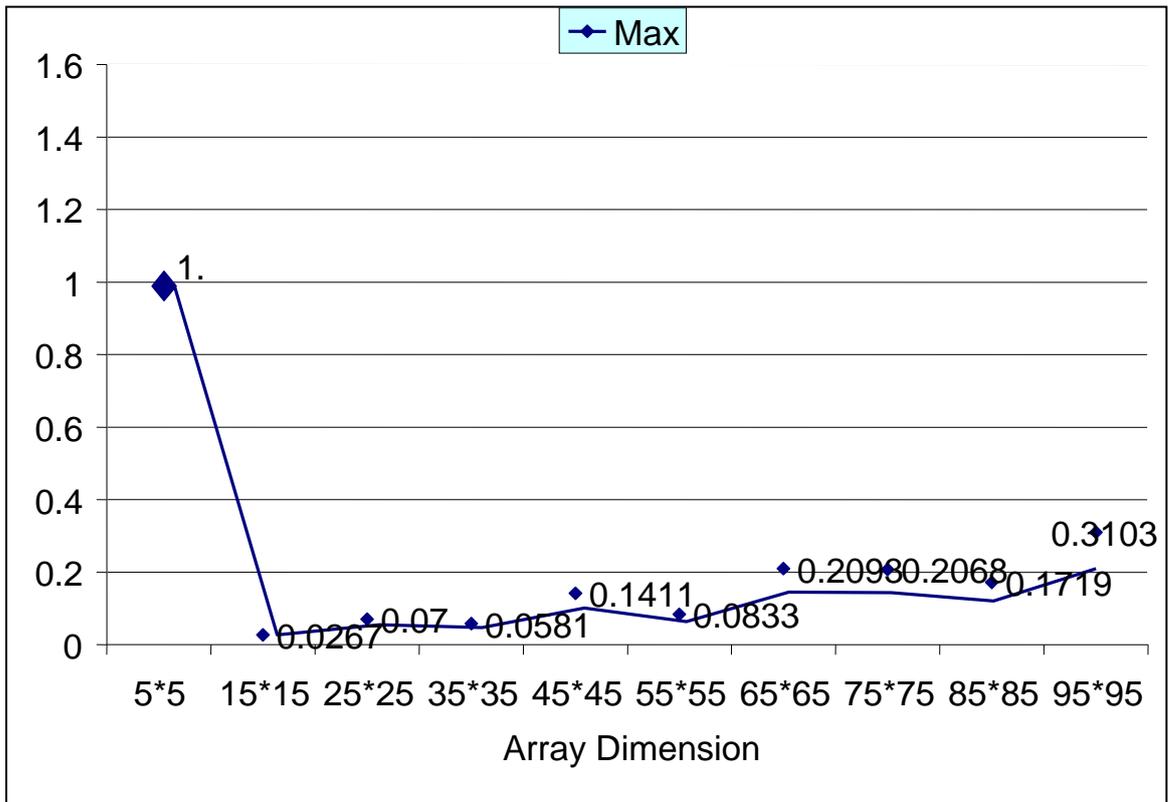
شكل (٣-٤): يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة والمعدل



شكل (٤-٤): يمثل العلاقة بين الانحراف المعياري وابعاد المصفوفة



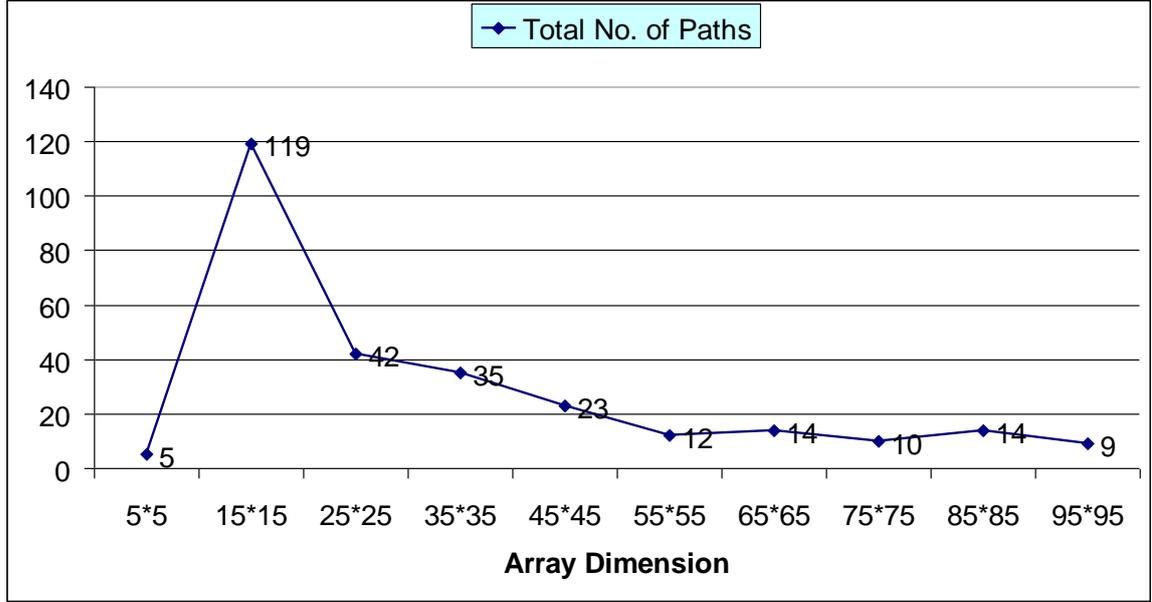
شكل (٤-٥): يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة والقيم الصغرى



شكل (٤-٦)

جدول رقم (٤-٦) يبين عدد الأتجاهات المكتشفة بالنسبة الى عدد العقد

Array dimension	Total no of paths
5*5	5
15*15	119
25*25	42
35*35	35
45*45	23
55*55	12
65*65	14
75*75	10
85*85	14
95*95	9



شكل (٧-٤) يمثل العلاقة بين ابعاد المصفوفة وعدد الطرق

٥-٤ المناقشة :-

نلاحظ من الجداول الموجودة ان الخوارزميات الجينية تعتبر من افضل الطرق للوصول إلى نتائج باقل مجهود ممكن و بفعالية عالية، حيث نلاحظ من جداول النقاط التالية:

١. إن عدد العقد الناتجة للوصول إلى الهدف جداً قليلة مقارنة بالطريق الاعتيادي (First Fit algorithm) حيث نلاحظ في الحالة عدد العقد الإجمالية ٥ و عدد العقد في الطريقة الاعتيادية هي ٥ بينما باستخدام الخوارزميات الجينية عدد العقد الأجمالية هي ٣.
٢. أيضاً نلاحظ انه مهما كان عدد العقد فالفرق جدا شاسع كمثال على ذلك اذا لاحظنا العقد من ٥ ال ٩٥ نلاحظ عدد العقد تزداد اضطراباً بين كلا الحالتين حيث نلاحظ في طريقة First Fit يكون عدد العقد بين ٥-٢٢ عقدة و تصل في حالة ال ١٤ عقدة في حين يكون عدد العقد الإجمالي ٥٥ بينما عدد العقد في حالة الخوارزميات الجينية لا يتجاوز بأي حد من الحدود ٤ عقد. هذا الشيء سوف يقلل عدد العقود المستعملة مما يؤدي الى تقليل الكلفة و الأجهزة المستعملة

٣. من الجدول رقم ٢ نلاحظ ان التكلفة الكلية لأي حالة مختلفة بين الطريقتين و ان هذا الاختلاف ليس ضمن نمط معين لكن إننا نعطي لأي عقدة قيمة عشوائية قبل البدء بالعملية لهذا نلاحظ ان قيمة التكلفة في بعض الحالات افضل في البرمجة الجينية مدها في الطريقة الثانية.

٤. من جدول ٣ و ٤ نلاحظ اننا عند تغير رقم عقدة المصدر و رقم عقدة الهدف ان عدد العقد المتبعة ايضا تختلف، و هذا الشيء منطقي جدا، لأننا سوف نمر فوق عدد اكثر من العقد للوصول الى المصدر.

٥. حيث يمكننا ملاحظة انه كلما كان الفرق بين المصدر و الهدف قليل في حالة firstfit يكون التكلفة قليلة و هذا منطقي جدا ايضا ففي حالة الخوارزميات الجينية يكون الاختلاف قليل.

٦. داخل هذا البرنامج يوجد بعض المتغيرات التي تتحكم بكفاءة العملية بين هذه التغيرات فالقيمة تمثل نطاق البحث ضمن العقد ، هذه القيمة ليس لها تاثير في القيم الصغرى لكن في القيم الكبرى، فبعد ٢٠ عقدة سوف يظهر التغيير واضح حيث ان القيم في جدول ٧ تكون ذات تغير تنازلي بعد اجتياز عتبة ٢٥ عقدة.

٧. التغير الاحاد في الجداول السابقة حيث تكون القيم تنازلية، من اجل الحد من هذه المعضلة يجب تغيير سرعة القيمة قبل البدء بالعمل اي بمعنى آخر زيادة نطاق البحث لكن هذا يكون على حساب سرعة إيجاد الحل فكلما زدنا النطاق يزداد الوقت للوصول الى نتيجة بشكل عالي. من خلال التجربة نرى ان افضل قيمة هنا تكون ١٠٠٠ وفي القيم الصغيرة ١٠٠.

٤-٦ المقترحات المستقبلية :-

١. تطبيق هذه الخوارزميات في الشبكات الحاسوبية في الحياة العملية من اجل معرفة اقصر الطرق لأرسال اشارة او رسالة بين نقطتين داخل الشبكة.
٢. زيادة عدد العقد قد يؤدي الى الحصول على افضل نتيجة.
٣. إدخال مخارج الخوارزميات على خلايا عصبية (Neural Network) قد يؤدي الى افضل النتائج.
٤. إدخال مخارج الخوارزميات على (Fuzzy Logic) قد يؤدي الى افضل النتائج.
٥. تطبيق الخوارزميات الجينية في الحياة العملية من خلال تطبيقها على اقتراح المسالك للروبوتات قد يؤدي الى أفضل النتائج .
٦. تطبيق الخوارزميات الجينية في الحياة العملية من خلال تصميم الألعاب الحاسوبية قد يؤدي الى أفضل النتائج .

Abstract:

The purpose of this theses is to establish a new model based on genetic algorithms to solve the congestion problem in routing networks, we used genetic algorithms (reproduction, crossover and mutation) and applied it on routing table to elect the optimal path depend on the number of paths, the number of nodes and the cost rather than only the cost used in famous routing algorithms like open shortest path(OSP), Dijkstra and others.